

PCT

ORGANISATION MONDIALE DE LA PROPRIÉTÉ INTELLECTUELLE  
Bureau international



DEMANDE INTERNATIONALE PUBLIÉE EN VERTU DU TRAITE DE COOPERATION EN MATIERE DE BREVETS (PCT)

(51) Classification internationale des brevets <sup>5</sup> : <b>C12N 15/11, A61K 31/70</b>		(11) Numéro de publication internationale: <b>WO 92/19732</b>
<b>A1</b>		(43) Date de publication internationale: 12 novembre 1992 (12.11.92)
(21) Numéro de la demande internationale: <b>PCT/FR92/00370</b> (22) Date de dépôt international: <b>24 avril 1992 (24.04.92)</b> (30) Données relatives à la priorité: <b>91/05114 25 avril 1991 (25.04.91) FR</b> (71) Déposant (pour tous les Etats désignés sauf US): <b>GENSET [FR/FR]; 1, passage Etienne-Delaunay, F-75011 Paris (FR).</b> (72) Inventeurs; et (75) Inventeurs/Déposants (US seulement) : <b>BLUMENFELD, Marta [FR/FR]; 75, rue Bobillot, F-75013 Paris (FR). BRANDYS, Pascal [FR/FR]; 14, rue Gardénat Lapostolle, F-92150 Suresnes (FR). D'AURIOL, Luc [FR/FR]; 27, rue de Moussaïa, F-75019 Paris (FR). VASSEUR, Marc [FR/FR]; 25, boulevard Arago, F-75013 Paris (FR).</b>		(74) Mandataire: <b>WARCOIN, Jacques; Cabinet Regimbeau, 26, avenue Kléber, F-75116 Paris (FR).</b> (81) Etats désignés: <b>AT (brevet européen), AU, BE (brevet européen), CA, CH (brevet européen), DE (brevet européen), DK (brevet européen), ES (brevet européen), FR (brevet européen), GB (brevet européen), GR (brevet européen), IT (brevet européen), JP, KR, LU (brevet européen), MC (brevet européen), NL (brevet européen), SE (brevet européen), US.</b>  Publiée <i>Avec rapport de recherche internationale.</i>
(54) Title: <b>CLOSED SENSE AND ANTISENSE OLIGONUCLEOTIDES AND USES THEREOF</b> (54) Titre: <b>OLIGONUCLEOTIDES FERMES, ANTISENS ET SENS, ET LEURS APPLICATIONS</b> (57) Abstract <p>A novel structure of sense and antisense oligonucleotides, namely closed oligonucleotides, is described. Closed oligonucleotides, advantageously circular oligonucleotides, for example, may be used pharmacologically as sense or antisense molecules. Methods for chemically and/or biologically obtaining such molecules are also described. The therapeutic use of the oligonucleotides as sense or antisense agents poses several problems, including the problem of molecule stability. Antisense oligonucleotides undergo nucleolytic degradation and are mainly sensitive to exonucleases. The closed antisense oligonucleotides of the invention are molecules with no free ends and are therefore more resistant to exonuclease attacks. The closed oligonucleotides can act as antisense factors and last longer than the corresponding linear oligonucleotides. Furthermore, closed antisense oligonucleotides which are circular or have a complex secondary structure allow the secondary and tertiary structures of target messenger RNAs to be taken into account. For instance, such antisense oligonucleotides may be multifunctional and interact with several regions which are not adjacent to the target RNA. Moreover, closed oligonucleotides may be used according to a "sense"-type strategy to interact specifically with protein factors having an affinity for certain RNA or DNA sequences or structures. Generally speaking, the closed and, in particular, circular oligonucleotides described here may be used in all cases where it is preferable to have available an oligonucleotide having increased resistance to exonucleases compared with an oligonucleotide which has the same sequence but is linear.</p>		

(57) Abrégé L'objet de l'invention est une nouvelle structure d'oligonucléotides antisens ou sens, les oligonucléotides fermés. L'invention concerne l'utilisation des oligonucléotides fermés - pouvant être avantageusement par exemple des oligonucléotides circulaires - à des fins pharmacologiques, comme molécules antisens ou sens. L'invention concerne également les méthodes d'obtention de telles molécules par des voies chimiques et/ou biologiques. L'utilisation thérapeutique des oligonucléotides comme agents antisens ou sens soulève plusieurs problèmes, dont principalement celui de la stabilité de ces molécules. Les oligonucléotides antisens sont sujet à dégradation nucléolytique, et sont principalement sensibles aux exonucléase. Les antisens fermés qui sont l'objet de la présente invention sont des molécules qui ne présentent pas d'extrémités libres et qui présentent donc une résistance accrue aux attaques exonucléasiques. Les oligonucléotides fermés peuvent donc agir comme facteurs antisens avec une plus grande pérennité que les oligonucléotides linéaires correspondants. De plus, des oligonucléotides antisens fermés - circulaires ou de structure secondaire complexe - permettent de prendre en compte les structures secondaires et tertiaires des ARN messagers cibles. Par exemple, de tels antisens peuvent être multifonctionnels, et interagir avec plusieurs régions non contiguës de l'ARN cible. De plus, des oligonucléotides fermés peuvent être utilisés selon une stratégie de type "sens" pour interagir de façon spécifique avec des facteurs protéiques présentant une affinité pour certaines séquences et structures de l'ARN ou de l'ADN. De façon générale, les oligonucléotides fermés, en particulier circulaires, faisant l'objet de l'invention décrite ici pourront être utilisés dans tous les cas où il sera avantageux de disposer d'un oligonucléotide présentant une résistance accrue aux exonucléases par rapport à un oligonucléotide de même séquence mais linéaire.

#### UNIQUEMENT A TITRE D'INFORMATION

Codes utilisés pour identifier les Etats parties au PCT, sur les pages de couverture des brochures publiant des demandes internationales en vertu du PCT.

AT	Autriche	FI	Finlande	ML	Mali
AU	Australie	FR	France	MN	Mongolie
BB	Barbade	GA	Gabon	MR	Mauritanie
BE	Belgique	GB	Royaume-Uni	MW	Malawi
BF	Burkina Faso	CN	Guinée	NL	Pays-Bas
BG	Bulgarie	GR	Grèce	NO	Norvège
BJ	Bénin	HU	Hongrie	PL	Pologne
BR	Brazil	IE	Irlande	RO	Roumanie
CA	Canada	IT	Italie	RU	Fédération de Russie
CF	République Centrafricaine	JP	Japon	SD	Soudan
CG	Congo	KP	République populaire démocratique de Corée	SE	Suède
CH	Suisse	KR	République de Corée	SN	Sénégal
CI	Côte d'Ivoire	LJ	Liechtenstein	SU	Union soviétique
CM	Cameroun	LK	Sri Lanka	TD	Tchad
CS	Tchécoslovaquie	LU	Luxembourg	TG	Togo
DE	Allemagne	MC	Monaco	US	Etats-Unis d'Amérique
DK	Danemark	MG	Madagascar		
ES	Espagne				

0

## OLIGONUCLÉOTIDES FERMÉS, ANTISENS ET SENS, ET LEURS APPLICATIONS.

La présente invention concerne des composés du type oligonucléotide ainsi que leurs applications.

5

Les oligonucléotides antisens sont de courtes molécules synthétique d'ADN -ou d'ARN- de séquence complémentaire à une séquence cible appartenant à un gène ou à un ARN messenger dont on désire bloquer spécifiquement l'expression.

10 Les oligonucléotides antisens peuvent être dirigés contre une séquence d'ARN messenger, ou bien contre une séquence d'ADN. Les oligonucléotides antisens hybrident à la séquence dont ils sont complémentaires et peuvent ainsi bloquer l'expression de l'ARN messenger portant cette séquence.

15 Le terme "oligonucléotide" est utilisé de façon générale pour désigner un polynucléotide en série ribo- ou désoxyribo-. Lorsqu'il sera question qu'une propriété particulière liée à l'utilisation d'une série désoxyribo- ou d'une série ribo-, on utilisera la dénomination complète

20 oligodésoxyribonucléotide ou oligoribonucléotide. Un oligonucléotide peut être monocaténaire, c'est-à-dire ne comporter qu'un alignement de nucléotides, non appariés à un autre chaîne, ou bien être bicaténaire, c'est à dire comporter des nucléotides appariés à une autre chaîne

25 polynucléotidique Deux oligonucléotides complémentaires forment une structure bicaténaire. Un oligonucléotide monocaténaire peut cependant présenter des régions bicaténaires par appariements intra-caténaire entre séquences complémentaires portées sur le même brin.

30 Le terme hybridation utilisé ici signifie la formation de liaisons hydrogènes entre des paires de bases complémentaires, la guanine et la cytosine formant trois liens hydrogènes, et l'adénine et la thymine en formant deux.

35

Les oligonucléotides antisens sont synthétisés par voie

chimique et comportent fréquemment des modifications altérant le squelette même de la molécule ou portent des groupement réactifs additionnels, localisés à leurs extrémités. Ces modifications introduites dans les oligonucléotides antisens ont pour buts soit d'augmenter la résistance de ces molécules à la dégradation nucléolytique, soit de favoriser leurs interactions avec leurs cibles, soit de permettre des réactions de dégradation/modification spécifiques des cibles, ARN ou ADN, soit d'accroître leur pénétration intra-cellulaire.

Les oligonucléotides antisens sont sensibles aux dégradations nucléasiques, et principalement à l'action des exonucléases. Les nucléases se trouvent dans tous les compartiments -cellulaires et extra-cellulaires, en particulier dans le sérum- et provoquent une dégradation rapide de ces molécules. Une utilisation pharmacologique de molécules antisens implique la résolution de ces problèmes de dégradation afin d'arriver à une pharmacocinétique satisfaisante et donc à une pérennisation suffisante des effets de ces molécules. De nombreuses modifications chimiques permettent aux oligonucléotides antisens de devenir résistants aux nucléases. Certaines modifications affectent directement la structure ou la nature de la liaison phosphodiester (méthylphosphonates, phosphorothioates, oligonucléotides alpha, phosphoramidates pour citer quelques exemples), d'autre consistent en l'addition de groupements de blocage aux extrémités 3' et 5' des molécules (Perbost et al., 1989; Bertrand et al., 1989; Bazile et al., 1989; Andrus et al., 1989; Cazenave et al., 1989; Zon, 1988; Maher and Dolnick, 1988; Gagnor et al., 1987; Markus-Sekura, 1987).

Pour accroître l'efficacité des interactions entre un oligonucléotide et sa cible, on peut ajouter à une extrémité de l'oligonucléotide antisens un groupement intercalant (acridines par exemple). Enfin, on peut ajouter aux oligonucléotides antisens des groupements réactifs (agents alkylants, psoralènes, Fe-EDTA par exemple) capables de

0 provoquer des coupures ou des altérations chimiques définitives au niveau de la cible (Sun et al., 1989; Helene, 1989; Durand et al., 1989; Sun et al., 1988; Helene and Thuong, 1988; Verspieren et al., 1987; Sun et al., 1987; Cazenave et al., 1988, 1987; Le Doan et al., 1987; Toulme et 5 al., 1986; Vlassov et al., 1986).

Le dernier type de modification classique des oligonucléotides antisens consiste en l'addition de groupements modifiant la charge et/ou l'hydrophilie des molécules afin de faciliter leur passage trans-membranaire 10 (Kabanov et al., 1990; Degols et al. 1989; Stevenson et al., 1989; Leonetti et al., 1988).

Toutes ces modifications peuvent évidemment être combinées entre elles.

15 Toutes les régions d'un ARN messenger ne sont pas sensibles de la même façon aux effets d'un oligonucléotide antisens. Un ARN messenger n'est pas une molécule linéaire figée, mais au contraire une molécule comportant de nombreuses structurations secondaires (hybridations intra-moléculaires 20 complexes), tertiaires (repliements et conformations particulières, pseudo noeuds), et interagissant avec des nucléoprotéines structurales et fonctionnelles (protéines basiques, complexes d'épissage, de poly-adénylation, de capping, complexe de traduction par exemple). La 25 disponibilité effective et l'accessibilité des différents régions d'un ARN messenger va dépendre de leurs engagements dans ces structurations. Corrélativement, l'efficacité d'un agent inhibiteur interagissant avec telle ou telle séquence va dépendre également de l'engagement de cette séquences 30 dans une fonction particulière. Les régions cibles pour les molécules antisens doivent être accessibles à l'oligonucléotide.

L'utilisation de logiciels de prédiction de structures secondaires permet de prévoir des degrés d'accessibilité 35 théoriques et donc d'orienter le choix de cibles pour des oligonucléotide antisens. Globalement, les régions les plus

0 utilisées comme cibles sont les sites de démarrage de la  
traduction (région de l'AUG initiateur) ainsi que les sites  
d'épissage (jonctions SD/SA). De nombreuses autres séquences  
n'ayant pas de fonctionnalités particulières et non engagées  
dans des appariement intra-moléculaires se sont avérées  
5 également efficaces comme cible pour des oligonucléotides  
antisens (voir les exemples cités plus loin).

Les oligodésoxyribonucléotides antisens peuvent également  
être dirigés contre certaines régions d'ADN bicaténaire  
10 (séquences homopurines/homopyrimidines ou riches en  
purines/pyrimidines) et former ainsi des triples hélices  
(Perroualt et al., 1990; François et al.(A), 1989; François  
et al.(B), 1989; François et al.(C), 1989; Wang et al.,  
1989; Maher et al., 1989; Sun et al., 1989; Boidot-Forget et  
15 al., 1988; Moser and Dervan, 1987; Dervan, 1986). Des  
oligonucléotides dirigées ainsi contre l'ADN ont été appelés  
"anti-gène" ou encore "anti-code". La formation d'une triple  
hélice, au niveau d'une séquence particulière, peut bloquer  
la fixation de protéines intervenant dans l'expression d'un  
20 gène et/ou permettre d'introduire des dommages irréversibles  
dans l'ADN si l'oligonucléotide considéré possède un  
groupement réactif particulier. De tels oligonucléotides  
antisens peuvent devenir de véritables endonucléases de  
restriction artificielles, dirigées à la demande contre des  
25 séquences spécifiques.

L'hybridation entre un oligonucléotide antisens et un ARN  
messager cible peut en bloquer l'expression de plusieurs  
manières, soit de façon stérique, soit de façon pseudo-  
30 catalytique (Gagnor et al., 1989; Jesus et al., 1988;  
Markus-Sekura, 1987):

- l'interaction entre l'ARN messager et un  
oligonucléotide antisens complémentaire peut créer une  
barrière physique interdisant la fixation et/ou la  
35 progression de protéines ou de complexes protéiques  
nécessaire à la traduction, à la maturation, à la

0 stabilisation ou au transport de l'ARN messenger. Ce blocage physique aboutira finalement à une inhibition de l'expression de l'ARN messenger ciblé.

-l'hybridation entre un ARN messenger et un oligodésoxyribonucléotide antisens va créer un substrat pour  
5 la RNase H, enzyme présent dans toutes les cellules eucaryotes. La RNase H est un enzyme qui dégrade spécifiquement l'ARN lorsqu'il est hybridé à de l'ADN. L'hybridation d'un oligonucléotide antisens à un ARN cible aboutira donc à la coupure de cet ARN cible à l'emplacement  
10 de cette hybridation, et donc à son inactivation définitive.

-Par ailleurs, comme indiqué plus haut, les oligonucléotides antisens peuvent comporter des groupement réactifs capables de produire directement des dommages irréversibles dans la molécules d'ARN cible.

15

En ce qui concerne les oligonucléotides antisens dirigés contre l'ADN ils peuvent agir soit en inhibant la fixation d'une protéine de régulation indispensable à l'expression du gène ciblé (facteur de transcription par exemple), soit en  
20 introduisant des dommages irréversibles (coupures, cross-links) dans la molécule d'ADN, la rendant inapte, localement, pour l'expression génétique.

Les ribozymes sont des molécules d'ARN douées d'activités  
25 enzymatiques, capables en particulier de provoquer des coupures endonucléasiques dans des ARNs cibles. Un ribozyme peut être considéré comme un oligonucléotide antisens particulier, doué d'une activité catalytique endonucléasique naturelle (Vasseur, 1990; Symons, 1989; Jeffrie and Symons,  
30 1989; Haseloff and Gerlach, 1988; Uhlenbeck, 1987; Symons et al., 1987). Typiquement, un ribozyme est constitué de deux parties, d'une part il comporte une séquence complémentaire à la séquence cible que l'on désire couper, et d'autre part, une séquence catalytique, faisant office de groupement  
35 réactif (Fedor and Uhlenbeck, 1990; Uhlenbeck et al; 1989; Sheldon and Symons, 1989; Sampson et al., 1987). Il est

0 possible actuellement, en utilisant un site actif consensus déduit de la séquence de ribozymes viraux, de couper théoriquement n'importe quel ARN messenger, en une position déterminée à l'avance (Haseloff and Gerlach, 1988; Uhlenbeck, 1987). Les ribozymes rencontrent les mêmes  
5 problèmes d'utilisation que les oligonucléotides antisens classiques, en particulier en ce qui concerne les phénomènes de dégradation, les ARNs étant encore plus sensibles à la dégradation nucléolytique que les ADNs.

10 Les oligonucléotides antisens permettent de bloquer spécifiquement l'expression d'ARN messagers cellulaires, par exemple de messagers de type oncogénique, (Tortora et al., 1990; Chang et al., 1989; Anfossi et al., 1989; Zhong et al., 1989; Shuttleworth et al., 1988; Cope and Wille, 1989;  
15 Cazenave et al., 1989) et de nombreux différents types d'ARN messenger viraux, provenant de virus aussi variés que le VSV (Degols et al., 1989; Leonetti et al., 1989), le SV40 (Westermann, et al., 1989), les virus influenza (Kabanov et al., 1990; Zerial et al., 1987), le virus de l'encéphalo-  
20 myocardite (Sankar et al., 1989), l'adénovirus (Miroshnichenko et al., 1989), le HSV (Gao et al., 1988) et le HIV (Matzukura et al., 1989; Stevenson et al., 1989; Matzukura et al., 1988; Goodchild et al., 1988).

Avec des ribozymes, on peut cliver *in vivo* l'ARN messenger  
25 codant, pour le gène marqueur CAT (Cameron and Jennings, 1989), inhiber le processus de maturation de l'ARN messenger d'histone (Cotten et al. 1989; Cotten and Birnstiel, 1989) ou protéger partiellement la cellule contre l'infection par HIV-1 (Sarver et al., 1990).

30

Les oligonucléotides peuvent également être utilisés dans le cadre de stratégies de type "sens". Cette approche consiste à utiliser un oligonucléotide en série désoxyribo- ou ribo-, monocaténaire ou bicaténaire, de séquence spécifique, comme  
35 agent de fixation d'une protéine présentant une affinité pour cette séquence et dont on désire diminuer la



0 concentration efficace, par compétition, à l'intérieur des  
cellules. On peut envisager ainsi d'utiliser des  
oligonucléotides interagissant avec des facteurs de  
transcription, des facteurs d'encapsidations viraux, des  
facteurs de régulation de la traduction, etc... Cette  
5 approche n'est pas encore exploitée comme l'est la stratégie  
antisens plus classique. Dans ce cas, le problème de la  
stabilité des oligonucléotides est également un facteur  
important critique pour l'efficacité et la pérennité de leur  
action. L'utilisation d'oligonucléotides modifiés pour une  
10 telle approche peut se heurter à des problèmes structuraux  
de reconnaissance par les protéines. La possibilité de  
disposer d'oligonucléotides naturels stables dans le sérum  
et les cellules permettrait d'envisager le développement de  
nouvelles voies thérapeutiques ciblées en particulier sur les  
15 facteurs de régulations à affinité pour les acides  
nucléiques.

Les oligonucléotides antisens, et sens, sont donc des agents  
pharmacologiques potentiels, puissants et hautement  
20 spécifiques, permettant d'inhiber l'expression de messagers  
codant pour des produits exerçant des effets pathogènes.

L'utilisation thérapeutique des oligonucléotides se heurte  
cependant à plusieurs problèmes de type physiologiques, en  
particulier celui de la délivrance intracellulaire de ces  
25 molécules et celui de leur sensibilité à la dégradation  
nucléolytique. L'utilisation de dérivés modifiés permet de  
surmonter le problème de la sensibilité aux nucléases, mais  
introduit un nouveau problème, celui de la toxicité  
éventuelle des modifications chimiques introduites dans la  
30 molécule.

L'utilisation des oligonucléotides antisens modifiés pose en  
effet des problèmes de nature toxicologiques. Si certaines  
des modifications sont réputées plutôt neutres, la plupart  
ne sont pas dénuées de toxicité potentielle.

35 Des oligonucléotides antisens modifiés chimiquement peuvent  
présenter une toxicité à plusieurs niveaux, soit directement

0 par des effets de la molécule entière, soit indirectement  
via les effets des produits de dégradation. Des nucléotides  
porteurs de modifications chimiques, et présents dans une  
cellule à une concentration élevée peuvent ainsi présenter  
une toxicité -et plus particulièrement une génotoxicité- non  
5 négligeable au plan pharmacologique.

Par exemple, de nombreux problèmes soulevés par l'emploi  
d'oligonucléotides antisens modifiés, en particulier des  
effets anti-viraux non séquence-spécifiques, semblent bien  
être dus à la nature de certaines des modifications  
10 chimiques introduites dans les oligonucléotides antisens  
pour les rendre résistant aux nucléases.

Au plan toxicologique, il est donc évident que moins on  
modifie la structure naturelle de l'oligonucléotide, moins  
15 on risque d'être confronté à des problèmes pharmacologiques.  
Une molécule naturelle d'ADN ou d'ARN, ainsi que ses  
produits de dégradation, ne pose pas ou peu de problème de  
toxicologie et de pharmacocinétique, ce qui n'est pas le cas  
d'une structure modifiée pouvant donner après métabolisation  
20 des dérivés multiples et potentiellement toxiques.

Il serait donc avantageux de pouvoir disposer  
d'oligonucléotides naturels, ne comportant que des désoxy ou  
ribonucléotides normaux, reliés entre-eux par une liaison  
25 phosphodiester normale, mais présentant cependant une  
résistance à la dégradation.

L'invention présentée ici a pour objet un nouveau type  
structural d'oligonucléotide antisens, ou sens, résistant  
30 aux exonucléases sans intervention de modifications  
chimiques stabilisantes. Les oligonucléotides faisant  
l'objet de l'invention ont la particularité de présenter une  
structure fermée, n'offrant pas d'extrémité disponible à la  
dégradation exonucléasique.

35

De tels oligonucléotides peuvent être utilisés dans leur

0 état naturel mais peuvent cependant comporter également des  
nucléotides modifiés, des groupements réactifs, ou être  
associés physiquement à d'autres molécules ou macromolécules  
dans le but de renforcer leur efficacité d'inhibition, leur  
pénétration, leur affinité pour leurs cibles, leur ciblage  
5 cellulaire ou intra-cellulaire, ou pour optimiser toute  
autre propriété.

## II. DESCRIPTION DE L'INVENTION

10 Dans les cellules, et plus encore dans un organisme, dans la  
circulation sanguine par exemple, les oligonucléotides  
antisens naturels sont sensibles aux nucléases. Les  
nucléases sont des enzymes de dégradation capables de couper  
les liaisons phosphodiester de l'ADN ou de l'ARN, soit en  
15 introduisant des coupures internes sur des molécules mono-  
ou bicaténaire, soit en attaquant ces molécules à partir de  
leurs extrémités. Les enzymes attaquent de façon internes  
sont appelées les endonucléases et celles attaquant par les  
extrémités sont appelés exonucléases.

20

La stabilité des oligonucléotides antisens -donc leur  
efficacité- peut être considérablement augmentée en  
introduisant diverses modifications chimiques les rendant  
résistant à la dégradation comme décrit ci-dessus.

25 Il est établi que ce sont les exonucléases qui sont la  
principale cause de dégradation des oligonucléotides  
antisens dans le sérum et dans la cellule. Plus  
particulièrement, il semble que les exonucléases s'attaquant  
à l'extrémité 3'OH soient surtout à incriminer dans ce  
30 phénomène.

Des modifications apportées à la structure des extrémités  
des oligonucléotides antisens peuvent les protéger, bloquer  
les activités des exonucléases, et conférer aux  
oligonucléotides une stabilisation accrue.

35

L'invention décrite ici est fondée sur l'idée nouvelle que

0 des oligonucléotides fermés, ne comportant pas d'extrémités libres, seront donc, par définition, résistants à ce type de dégradation. Des oligonucléotides fermés, circulaires par exemple, ne présentent pas de substrat accessible aux exonucléases 3' ou 5' et sont donc ainsi stabilisés.

5

Plus particulièrement, l'invention concerne donc un agent antisens ou sens du type oligonucléotide, caractérisé en ce qu'il est constitué d'une ou plusieurs séquence(s) d'oligonucléotides monocaténares dont les extrémités sont  
10 reliées entre elles par des liens covalents pour former au moins partiellement une structure monocaténaire fermée.

Ces agents sont parfois dénommés ci-après oligonucléotides fermés ou oligonucléotides circulaires, dans la mesure où ce  
15 type de composé présente de préférence une majorité de nucléotides par rapport aux structures non nucléotidiques.

La définition du terme oligonucléotide a été donnée précédemment et incorpore aussi bien la série ribo- que  
20 désoxyribo- naturelle, de même que les modifications de ces bases qui seront globalement dénommées ci-après non-naturelles et qui ont également été évoquées précédemment.

Le lien covalent peut être une structure covalente non  
25 nucléotidique protéique, lipidique, osidique et/ou une structure mixte, comme cela sera explicité ci-après. On préfère toutefois utiliser une structure covalente nucléotidique, c'est à dire une liaison phosphodiester.

30 L'invention concerne des oligonucléotides fermés, circulaires par exemple, n'ayant pas d'extrémités libres, mais composés par une suite de bases nucléotidiques reliées entre elles par tout types de liaisons, et préférentiellement par des liaisons de type phosphodiester.

35 Ces bases pourront être associées entre elles par des liaisons telles que la distance entre ces bases sera

0 d'environ 3 Å à 4 Å ce qui est la distance que l'on trouve  
dans les molécules naturelles d'ADN ou d'ARN lorsque les  
liaisons internucléotidiques sont assurées par des  
groupements phosphodiesters. Les oligonucléotides fermés,  
circulaires par exemple, seront composés avantageusement de  
5 nucléotides naturels liés préférentiellement entre-eux par  
des liaisons phosphodiesters non modifiées, mais pourront  
également comporter des nucléotides modifiés et/ou des  
liaisons modifiées respectant les distances entre bases et  
permettant les rotations axiales hélicales caractéristiques  
10 des conformations des acides nucléiques. Les  
oligonucléotides fermés seront donc composés avantageusement  
des bases A, T, G, C, ou U, sous leurs formes désoxy- ou  
ribonucléotidiques. Les oligonucléotides fermés pourront donc  
être soit des oligodésoxyribonucléotides, soit des  
15 oligoribonucléotides, soit des molécules mixtes comportant  
des désoxyribonucléotides et des ribonucléotides.

Sont donc comprises dans l'invention, toute molécule d'ADN,  
ou d'ARN, -ou mixte ADN/ARN-, monocaténaire, fermée,  
20 circulaire ou possédant une partie circulaire, obtenue de  
façon biologique, chimique, ou par des procédés associant  
les techniques de la chimie de synthèse à celles de la  
biologie et de la biochimie, présentant une résistance aux  
exonucléases supérieure à celle d'un oligonucléotide de même  
25 séquence mais complètement linéaire, ne présentant pas de  
structure fermée.

Des exemples d'oligonucléotides fermés sont présentés dans  
les figures 1A à 1C.

30 La figure 1A présente des exemples de structure  
d'oligonucléotides antisens fermés. La figure 1B présente  
des exemples de structure d'oligonucléotides sens fermés. La  
figure 1C présente une molécule mixte pouvant exercer un  
effet sens et antisens.

35

Le nombre de nucléotides unitaires composant les

0 oligonucléotides fermés peut varier dans de larges proportions notamment entre 10 et 200, mais ce nombre sera  
avantageusement compris, à titre indicatif, entre une  
vingtaine et une cinquantaine de nucléotides, selon la  
structure de fermeture (circulaire, structure en lasso, en  
5 ballon, structure bicaténarisée, etc... voir plus loin les  
descriptions des différentes structures), les utilisations  
(molécule antisens anti-ARN, molécule antisens anti-ADN,  
molécule sens anti-protéique), le type de l'oligonucléotide  
-désoxy ou ribonucléotidique- (antisens simple ou antisens  
10 ribozymique, etc...) et les cibles considérées (ARNmessenger,  
ARN pré-messager, structure secondaire particulière, etc..).

Les oligonucléotides fermés faisant l'objet de la présente  
invention sont préférentiellement composés par une séquence  
15 de bases comportant de l'adénine (A), de la guanine (G), de  
la cytosine (C), de la thymine (T) et de l'uracile (U), de  
formules générales présentées en figure 1D.

Les oligonucléotides fermés pourront également comporter des  
20 nucléotides rares (Inosine, I, ou rI par exemple) ou des  
nucléotides modifiés, soit en série désoxyribo- soit en  
série ribo-.

Les oligonucléotides fermés pourront comporter des  
25 nucléotides modifiés au niveau de la liaison phosphodiester,  
par exemple, selon les quelques formules présentées en  
figure 2. Par exemple, les oligonucléotides fermés pourront  
comporter un ou plusieurs des groupements bien connus que  
sont les phosphorothioates, les méthylphosphonates, les  
30 phosphorodithioates, les phosphoselonnates, les  
phosphoroamidates, les alkyl-phosphotriesters. Notons  
cependant que les oligonucléotides antisens fermés  
comprendront préférentiellement des nucléotides naturels,  
reliés entres-eux par des liaisons phosphodiesters non  
35 modifiées.

0 Les oligonucléotides fermés pourront comporter des nucléotides réactifs, capables d'établir des liens avec la séquence de la molécule cible complémentaire à l'oligonucléotide.

5 Ainsi, les oligonucléotides fermés pourront porter des groupements réactifs greffés sur les nucléotides, comme par exemple des groupements psoralènes, ou d'autres agents de pontage ou agents intercalant pouvant réagir avec la séquence de la molécule cible complémentaire à  
10 l'oligonucléotide (voir les quelques exemples non-exhaustifs présentés en figure 2).

Les oligonucléotides antisens fermés pourront également inclure, parmi les nucléotides faisant partie de la  
15 structure fermée, une séquence d'ARN présentant une activité catalytique. Ces oligonucléotides circulaires seront ainsi des ribozymes circulaires, aux extrémités jointes, comportant, en plus de la séquence catalytique pouvant être toute séquence d'ARN capable de provoquer une coupure ou un  
20 modification dans une séquence d'ARN cible, une séquence de type antisens, complémentaire à la séquence ciblée, et pouvant être constituée soit d'ARN, soit d'ADN soit d'un mélange ADN/ARN (figure 3).

25 Font également partie de l'invention des oligonucléotides fermés couplés à des molécules permettant d'accroître leur pénétration intra-cellulaire, et en particulier des groupement lipophiles, des polypeptides ou des protéines.

30 Les oligonucléotides fermés présentent la caractéristique principale de ne pas offrir de substrat aux exonucléases 3' et 5'. Pour acquérir cette propriété, la structure la plus simple est un oligonucléotide circulaire, formée d'une succession de nucléotides reliés entre eux par des liaisons  
35 phosphodiesters comme schématisé plus haut, et présentant ou non des appariements intracaténaux (figures 1A à 1C et

0 figure 4).

D'autres structures de molécules fermées par une liaison non phosphodiester 3'-5' peuvent également être synthétisées et présenter une résistance partielle ou totale aux 5 exonucléases.

Font également partie de l'invention des molécules en lasso composées de résidus désoxy ou ribonucléotidiques et fermés soit par une liaison faisant intervenir soit l'extrémité 3', 10 soit l'extrémité 5' de la molécule (figures 1A à 1C et figure 4B). Dans ces molécules en lasso, la partie linéaire peut ne comporter qu'un seul résidu nucléotidique, ou bien peut comporter une chaîne latérale nucléotidique de plusieurs résidus. Dans ces structures, l'un des nucléotides 15 terminaux de l'oligonucléotide est couplé à un nucléotide interne, par une liaison pouvant s'effectuer avec la base ou avec le sucre, ou avec le groupement phosphodiester. De tels oligonucléotides présentent une extrémité libre et une extrémité bloquée. La résistance aux exonucléase sera donc 20 partielle, l'extrémité libre pouvant faire l'objet d'une dégradation nucléolytique. Les extrémités 5' et 3' des oligonucléotides ne sont pas sensibles de façon équivalentes à la dégradation, l'extrémité 3' étant la plus sensible. Un oligonucléotide circulaire en lasso, ne présentant que 25 l'extrémité 5' libre est protégé en grande partie contre la dégradation. De plus, les exonucléase pouvant dégrader la partie linéaire du lasso seront arrêtées au niveau du point de branchement. A ce stade, l'oligonucléotide est devenu totalement résistant aux exonucléases 3' et 5', quelle que 30 soit l'extrémité libre ou branchée initialement. De telles molécules en lasso peuvent comporter des résidus nucléotidiques naturels ou modifiés comme énoncé plus haut au paragraphe précédent. La structure générale des molécules en lasso est présentée en figure 1A et figure 4B.

35

Font également partie de l'invention des oligonucléotides



0 fermés en ballon, comme décrits dans la figure 1A, la figure  
1B et la figure 4C. Ces oligonucléotides sont fermés par une  
liaison chimique correspondant à un pontage intercaténaire  
réalisés entre deux nucléotides internes. Ce pontage peut  
être effectué par le biais d'un nucléotide réactif -  
5 photoactivable par exemple- ou bien en utilisant un réactifs  
exogène établissant un lien entre deux régions appariées de  
l'oligonucléotide. Un tel oligonucléotide en ballon ne  
présente qu'un nombre limité, ou pas, de sites substrats  
pour des exonucléases. Même si le ou les pontages fermant la  
10 molécule oligonucléotidique sont pas effectués au niveau des  
nucléotides terminaux, seuls seront accessibles aux  
exonucléases les quelques nucléotides localisés de part et  
d'autre du point de pontage, aux extrémités de la molécule.  
Les exonucléases pourront cliver les liaisons  
15 phosphodiesters reliant les nucléotides des extrémités non  
couplées, mais seront arrêtées à partir du site de pontage.  
Les nucléotides engagés dans le pontage sont résistants aux  
exonucléase, totalement ou partiellement, et protègent ainsi  
l'oligonucléotide contre la poursuite de la dégradation  
20 nucléolytique.

Font également partie de l'invention une autre famille  
d'oligonucléotides circulaires refermés sur eux-mêmes par  
l'intermédiaire d'une molécule non nucléotidique. Ces  
25 oligonucléotides fermés possèdent une partie de leurs  
structure moléculaire correspondant à une séquence d'ADN ou  
d'ARN dans laquelle les bases sont non modifiées, et dont la  
première unité nucléosidique est reliée à la dernière par  
une liaison faisant intervenir une structure molécule  
30 quelconque. Par exemple, les oligonucléotides antisens  
peuvent être circularisés au moyen d'un couplage entre les  
nucléotides terminaux par une structure protéique ou  
polypeptidique qui seront liés aux unités nucléosidiques  
terminale par tout type de couplage (figure 4). Font donc  
35 également partie de l'invention des oligonucléotides  
circulaires comportant une partie nucléotidique et une

0 partie protéique. L'insertion de cette partie protéique peut  
s'effectuer par divers procédés de couplage. La fraction  
protéique peut être conçue pour accroître l'efficacité de la  
molécule nucléotidique par différents mécanismes. La partie  
protéique pourra, par exemple, favoriser l'internalisation  
5 de l'oligonucléotide dans des cellules, permettre de cibler  
éventuellement certaines cellules en choisissant un  
déterminant protéique utilisé. Les composants protéiques ou  
peptidiques utilisés dans les oligonucléotides circulaires  
de ce type pourront également être des molécules de  
10 signalisation, permettant un ciblage intra-cellulaire des  
oligonucléotides. Par exemple, on pourra utiliser des  
peptides d'adressage nucléaire provenant de protéines  
naturelles cellulaires ou virales. Cet aspect de l'invention  
consiste donc à proposer des oligonucléotides, de structure  
15 nouvelle, et comportant des composés susceptibles de réagir  
spécifiquement avec des récepteurs particuliers de la  
surface membranaire de la cellule, d'être internalisées par  
les dites cellules, et d'exercer leur activité biologique à  
l'intérieur de la cellule.

20

Font également partie de l'invention des oligonucléotides  
circulaires refermés sur eux-mêmes par des groupement  
lipophiles ou des chaînes comportant des radicaux lipophiles  
et favorisant l'internalisation cellulaire de ces molécules.

25

Font également partie de l'invention des oligonucléotides  
fermés associés par des couplages covalents ou non covalents  
à des structures d'encapsulation de type liposomiques ou de  
tout autre structure lipoprotéique ou lipopolysaccharidique.

30

Font également partie de l'invention des oligonucléotides  
circulaires refermés sur eux-mêmes par une liaison  
phosphodiester, mais comportant de plus une ou plusieurs  
liaisons internes produites par des agents réactifs  
35 appartenant à la structure de la molécule elle-même ou  
apportés de façon exogène.

0 Ces molécules posséderont les caractéristiques de résistance  
aux exonucléases des oligonucléotides circulaires et offrent  
de plus des conformations secondaires particulières, pouvant  
être adaptées à la reconnaissance de sites particuliers sur  
des cibles présentant elles-mêmes des conformations  
5 secondaires ou tertiaires particulières, que ces cibles  
soient des acides nucléiques ou tout autre structure  
cellulaire ou virale susceptible de présenter une affinité  
élective et sélective envers un polynucléotide de structure  
primaire et secondaire particulière.

10

Font également partie de l'invention des oligonucléotides  
antisens circulaires ou fermés susceptibles de former une  
triple hélice avec l'ARN cible. La formation d'une triple  
hélice permet de stabiliser l'interaction ADN/ARN entre

15 l'antisens et la séquence cible.

De façon générale, on peut également dire qu'un antisens  
circulaire est un composé "prodrug" par rapport à un oligo-  
nucléotide antisens linéaire. La coupure d'un oligonu-  
cléotide circulaire donnera naissance à un oligonucléotide  
20 linéaire qui pourra exercer un effet antisens classique,  
avec retard.

Bien qu'assez souvent les composés selon l'invention  
comporteront des séquences nucléotidiques non susceptibles  
25 de s'auto-apparier font également partie de l'invention des  
oligonucléotides fermés comportant des régions auto-  
appariées formant une structure bicaténaire de longueur  
variable (voir figure 5). Cette structure bicaténaire pourra  
avoir plusieurs rôles, par exemple celui de stabiliser la  
30 molécule pour permettre sa circularisation, lors de la  
synthèse des molécules circulaires (voir plus loin les  
procédés de préparations). Cette structure bicaténaire  
pourra également avoir un rôle actif, comme par exemple  
celui d'interagir avec des protéines présentant une affinité  
35 pour cette séquence. La structure bicaténaire pourrait  
correspondre à une séquence de fixation pour des facteurs

0 protéiques. En particulier, un aspect de l'invention est de fournir des molécules oligonucléotidiques naturelles stables pouvant fixer des facteurs protéiques cellulaires ou viraux et donc interférer avec des processus biologiques mettant en jeux ces facteurs.

5 Un exemple de l'utilisation d'oligonucléotides fermés comportant une région auto-appariées -des oligonucléotides destinés à une telle application seront avantageusement circulaires simplement- est la compétition intra-cellulaire avec des facteurs de transcription. Dans ce cas, la partie  
10 bicaténaire de l'oligonucléotide fermé portera la séquence de fixation du facteur de transcription, du régulateur, du récepteur nucléaire hormonal que l'on désire piéger. L'interaction entre l'oligonucléotide circulaire bicaténarisé et un facteur de transcription va aboutir à  
15 réduire la disponibilité intra-cellulaire de ce facteur, et donc va modifier les équilibres de régulation pour lesquels ce facteur intervient. S'il s'agit d'un facteur de transcription positif, exerçant un effet de stimulation, le blocage de ce facteur aboutira à une inhibition des gènes  
20 considérés; s'il s'agit d'un facteur négatif, inhibant l'expression de gènes après interaction avec l'ADN cellulaire, alors l'expression de ces gènes sera stimulée. De façon générale, les oligonucléotides fermés, de type circulaire, de série désoxyribo- et comportant une partie  
25 bicaténaire pourront interagir dans des buts thérapeutiques avec tout facteur protéique présentant de l'affinité pour l'ADN et dont on désire réduire ou altérer les effets dans une situation pathologique donnée.

Il est également envisager d'utiliser des oligonucléotides  
30 fermés, avantageusement circulaires, pour combiner des approches antisens et sens dans un but de plus grande efficacité. Ce procédé consiste à utiliser simultanément un oligonucléotide antisens fermé dirigé contre l'ARN messager d'un facteur de transcription, et un oligonucléotide "sens"  
35 fermé comportant une structure bicaténaire de séquence correspondant au site de fixation sur l'ADN de ce facteur de

0 transcription. Deux niveaux d'action sont donc ciblés  
simultanément, en synergie, sur la même molécule cible,  
l'antisens diminuant la synthèse de ce facteur et la  
molécule sens exerçant un effet de piège sur les molécules  
résiduelles pouvant subsister. Les approches combinées sens  
5 et antisens pourront être utilisées soit pour cibler la même  
protéine, à deux niveaux d'expression et de fonctionnalité  
différents, soit pour attaquer deux protéines différentes,  
dans un but de recherche de la plus grande efficacité du  
procédé.

10

Cette approche double peut faire appel à l'utilisation  
simultanée de deux molécules différentes, l'une sens et  
l'autre antisens, ou bien à une seule molécule  
oligonucléotidique fermée comme celle décrite dans la figure

15 1C.

Un autre exemple de l'utilisation d'oligonucléotides fermés  
est la compétition intra-cellulaire avec des facteurs  
d'affinité pour certaines séquences d'ARN bicaténaire. C'est  
20 le cas pour certaines protéines de régulation interagissant  
avec les ARN messagers, en particulier avec les ARN  
messagers viraux. On peut citer par exemple le cas du  
produit du gène tat de HIV qui se fixe sur une région  
bicaténaire le l'extrémité 5' de l'ARN messager viral. Pour  
25 être utilisés comme agents interagissant avec tat, dans le  
cas de cet exemple, les oligonucléotides fermés -circulaires  
par exemple- comprendraient une partie bicaténaire en série  
ribo-, le reste de l'oligonucléotide étant composé de  
nucléotides soit en série ribo- soit en série désoxyribo-.

30 De façon générale, les oligonucléotides fermés faisant  
l'objet de l'invention pourront être utilisés comme  
molécules stabilisées pour le piégeage de facteurs  
protéiques présentant une affinité pour les acides  
nucléiques, ADN ou ARN, monocaténaire ou bicaténaire, en  
35 mimant à la fois la structure primaire (séquence) des sites  
d'affinité et les structures secondaires éventuelles

0 (structures en épingle à cheveux, structures cruciformes par exemple).

De tels oligonucléotides fermés, avantageusement circulaires, comportant une séquence nucléotidique reconnue par des facteurs protéiques pourront également porter des  
5 groupements réactifs capables d'effectuer des pontages, spontanés ou photo-activables, avec les protéines interagissant avec eux.

Un aspect de l'invention, comme décrit de façon détaillée au  
10 paragraphe précédent, est donc de fournir de nouveaux oligonucléotides naturels stables capables d'être internalisés dans les cellules et d'interagir ensuite avec des facteurs cellulaires ou viraux présentant une affinité pour des séquences spécifiques d'acides nucléiques.

15

Font également partie de l'invention des oligonucléotides circulaires associés deux à deux grâce aux complémentarités de leurs séquences, pour former une structure circulaire bicaténaire complète ou partielle (pouvant présenter des  
20 non-appariements, autrement dit des "mismatches"), et résistante aux exonucléases. Ces oligonucléotides bicaténaires circulaires pourront être composés de nucléotides naturels, rares, artificiels, ou modifiés, en série désoxyribo- ou en série ribo-. Ces oligonucléotides  
25 circulaires bicaténaires pourraient être composés d'ADN de forme I ou d'ADN de forme V, c'est-à-dire comportant des structures composites de type B et Z. L'ADN de forme I est de l'ADN circulaire super-enroulé, dont les deux brins présentent un entrelacement. L'ADN de forme V est un ADN  
30 dont les brins complémentaires ne sont pas entrelacés, c'est-à-dire un ADN formé de deux brins complémentaires, côte-à-côte. L'ADN bicaténaire peut adopter des conformations différentes, A, B ou Z. La forme la plus naturelle et la plus courante de l'ADN est une hélice droite  
35 de type B, alors que la forme Z, moins fréquente, est une hélice gauche, plus allongée que la forme B. Une structure

0 circulaire telle que celle décrite ci-dessus, comportant  
deux brins complémentaires non entrelacés comportera à la  
fois des hélices gauches et des hélices droites. Un tel  
oligonucléotide circulaire bicaténaire pourra être utilisé  
comme agent de type sens, pour interagir avec des protéines  
5 présentant de l'affinité pour une séquence particulière qui  
sera présente sur l'oligonucléotide considéré. Un tel  
oligonucléotide bicaténaire circulaire, en série ribo en  
particulier, pourra également être utilisé comme  
immunostimulant de façon générale, et plus particulièrement  
10 comme agent d'induction d'interférons. A noter que cette  
fonction d'immunostimulation potentielle que présente  
certains ARNs pourra également être exploitée en utilisant  
des oligonucléotides circulaires monocaténaires présentant  
des structures bicaténaires auto-appariées grâce à des  
15 complémentarités internes de séquence et en tirant parti de  
l'avantage que confère la résistance aux exonucléases d'une  
structure circulaire.

### III. PRÉPARATION DES OLIGONUCLÉOTIDES FERMÉS

20

Les oligonucléotides fermés qui font l'objet de l'invention  
peuvent être obtenus par voie chimique, biologique, ou par  
des approches faisant appel à des combinaisons des  
techniques de la chimie de synthèse et de la biologie  
25 moléculaire.

Les oligonucléotides fermés peuvent donc être préparés, soit  
à partir d'oligonucléotides linéaires, refermés ensuite par  
des techniques chimiques ou biologiques, soit directement en  
30 tant qu'oligonucléotides par voie chimique, utilisant des  
réaction aboutissant à la cyclisation de la molécule. Ces  
deux approches sont considérées successivement ci-dessous.

#### 1-PRÉPARATION D'OLIGONUCLÉOTIDES CIRCULAIRES À PARTIR D'OLIGONUCLÉOTIDES 35 LINÉAIRES PAR LES TECHNIQUES DE LIGATION

0 Diverses méthodes de synthèse chimique d'oligonucléotides naturels ont été développées et sont bien connus des spécialistes travaillant dans les règles de l'art. Par exemple, une méthode consiste à utiliser un support solide dit CPG (controlled pore glass) sur lequel le premier  
5 nucléoside est fixé covalamment par un bras de couplage, par l'intermédiaire de son extrémité 3'OH. L'extrémité 5'OH du nucléoside est protégé par un groupe di-p-méthoxytrityl acido-labile. Cette approche, utilisant la chimie des phosphites triesters, et dans laquelle des désoxynucléosides  
10 3'phosphoramidites sont utilisés comme synthons est appelée la méthode des phosphoramidites (Caruthers, 1985). Cette approche est la plus utilisée actuellement et présente l'avantage d'être entièrement automatique. La synthèse d'un oligonucléotide à partir d'une première unité fixée sur CPG  
15 commence par une étape de déprotection au cours de laquelle le groupe trityl est éliminé, puis une unité nucléosidique activée sur son groupe 5' est additionnée, les produits non-réactifs sont bloqués, puis un nouveau cycle de déprotection/activation/couplage recommence. Typiquement,  
20 l'addition d'un désoxynucléotide s'effectue selon les quatre étapes suivantes i) déprotection et élimination d'un groupe protecteur diméthoxytrityl par l'acide, ii) condensation du produit résultant avec un désoxynucléoside 3'-phosphoramidite, donnant un désoxydinucléoside phosphite  
25 triester, iii) acylation, c'est-à-dire blocage des groupements 5'-hydroxyl n'ayant pas réagi et iv) oxydation du phosphite triester en phosphate triester. La répétition de tels cycles conduit à la synthèse d'oligonucléotides pouvant atteindre plus de 200 unités.

30 Pour citer un second exemple, une autre approche utilisée pour la synthèse d'oligonucléotides est celle de la chimie des phosphonates (Froehler et al, 1986). Cette approche commence par la condensation d'un désoxynucléoside 3'-H-phosphonate avec un désoxynucléoside couplé à un support de  
35 verre de silice. Des cycles de condensation successifs conduisent à la synthèse d'oligonucléotides H-phosphonates.



0 Ces oligonucléotides sont oxydés en une étape pour donner les phosphodiesters.

En utilisant l'une ou l'autre de ces techniques, ou tout autre procédure séquentielle permettant la synthèse chimique  
5 de chaînes polynucléotidiques de séquence déterminée à l'avance, on obtient des oligonucléotides linéaires qu'il est possible de circulariser par voie biologique, en utilisant des enzymes de ligation. Pour pouvoir utiliser des ligases pour refermer les oligonucléotides sur eux-mêmes,  
10 les oligonucléotides doivent comporter un groupement terminal 5'P, que la phosphorylation du 5' terminal ait été effectué par voie chimique, ou bien par voie biologique en utilisant une kinase (préférentiellement la polynucleotide kinase) et de l'ATP ou tout autre donneur de phosphate.

15

Différentes procédures convenant pour effectuer avantageusement la circularisation d'oligonucléotides linéaires sont décrites ci-dessous

20 1-1-Un oligonucléotide linéaire peut être circularisé en établissant une structure partiellement bicaténaire appariée pour permettre le fonctionnement d'une ligase, comme la T4 ligase, au moyen d'un second oligonucléotide plus court que le précédent, et de séquence complémentaires aux deux  
25 extrémités du premier oligonucléotide. Dans ce cas, illustré figure 6, le second petit oligonucléotide fait office d'adaptateur et permet la mise bout à bout des deux nucléotides terminaux de l'oligonucléotide à circulariser. L'action de la T4 ligase, ou de tout autre enzyme de  
30 ligation capable d'exercer son action sur l'ADN permet alors la circularisation en formant une liaison phosphodiester entre ces deux nucléotides. Cette ligation peut se faire en solution, les deux oligonucléotides étant mélangés dans un milieu permettant l'hybridation et la ligation dans des  
35 conditions de concentration et de température convenable pour favoriser la circularisation intra-caténaire et

0 défavoriser les ligation inter-oligonucléotidiques pouvant diminuer le rendement de la réaction de circularisation proprement dite.

1-2- Une variante du procédé décrit au (1) consiste à  
5 effectuer la circularisation de l'oligonucléotide toujours grâce à un adaptateur, mais en utilisant un oligonucléotide fixé sur un support pouvant être par exemple de la nitrocellulose ou un dérivé, une membrane de nylon, un support de verre, une structure polysaccharidique, ou tout  
10 autre support permettant de fixer de façon covalente ou non covalente un fragment d'acide nucléique et permettant ultérieurement l'hybridation entre ce fragment et un oligonucléotide et compatible avec l'action d'une ligase. Cette procédure consiste donc à fixer l'oligonucléotide  
15 adaptateur sur un support, soit au moyen d'une liaison covalente, soit par des liens non-covalents. On utilisera de manière avantageuse les liaisons covalentes permettant d'effectuer un grand nombre de cycles d'hybridation/ligation avec l'oligonucléotide à circulariser. L'oligonucléotide  
20 adaptateur pourra être fixé à son support soit au niveau d'un nucléotide terminal, directement ou au moyen d'un agent de couplage, soit par un nucléotide situé en position interne et portant un groupement réactif. Le schéma de principe d'une telle méthode est illustré figure 6.  
25 L'intérêt de fixer l'oligonucléotide adaptateur est double: d'une part, cette fixation effectuée dans des conditions physiques contrôlées (nombre de molécules fixées par unité de surface) permet de réduire l'incidence de la formation de concatémères lors de la réaction d'hybridation, à la suite  
30 de liaison inter-oligonucléotidiques et, d'autre part, elle facilite la réalisation de réacteurs de ligation utilisant un grand nombre de fois les oligonucléotides adaptateurs pour de multiples cycles de circularisation.

35 1-3- Les oligonucléotides pourront être circularisés en tirant parti de structures secondaires délibérément

- 0 introduites en prévoyant des séquences capables de se replier sur elles-mêmes en formant des structures bicaténaire partielles. Par exemple, la figure 6 illustre le cas d'un oligonucléotide "en haltère", comportant une partie linéaire formant une boucle et comportant la séquence
- 5 de type antisens, une région bicaténaire longue de 9 paires de bases, et une séquence de fermeture composée de T<sub>5</sub>. Cette structure est capable d'effectuer des auto-appariements donnant ainsi une molécule susceptible d'être utilisée comme substrat par un enzyme de ligation comme la T4 ligase. Dans
- 10 ce cas, le rendement de la ligation dépend entre autres de la stabilité de l'appariement au niveau de la structure bicaténaire. Plusieurs séquences d'appariement ont fait l'objet d'études comparatives et l'une des séquences permettant un rendement de circularisation avantageux (de
- 15 l'ordre de 75%) est indiquée dans la figure 6. Bien que n'importe lesquels des nucléotides puissent être utilisés pour réaliser une boucle de fermeture de longueur variable, on utilisera préférentiellement de 4 à 8 résidus, et principalement soit A soit T.
- 20 La région bicaténaire d'appariement pourra comporter soit une séquence utilisée seulement pour la formation de la structure en "haltère", soit une séquence correspondant en partie à la région cible et potentiellement déplaçable par une hybridation inter-moléculaire.
- 25 Les conditions expérimentales permettant la circularisation efficace de l'oligonucléotide dont la séquence est donnée en figure 6 sont indiquées précisément plus loin dans la partie expérimentale (voir "Propriétés et Avantages des Oligonucléotides Fermés). Dans le cas de cette séquence, le
- 30 rendement de circularisation est de l'ordre de 75%.
- Cette technique a été utilisée pour préparer les oligonucléotides circulaires dont il est question dans la partie expérimentale
- 35 1-4-Les oligonucléotides circulaires pourront également être formés par une structure bicaténaire refermée sur elle-même

0 à chaque extrémité par une courte boucle de nucléotides de  
jonction. Ces oligonucléotides pourront être utilisés pour  
des approches de type "sens" telles celles décrites plus  
haut. Un exemple typique d'un oligonucléotide sens est  
illustré figure 6. Cet oligonucléotide comporte une séquence  
5 appariée de 24 nucléotides et deux boucles de jonction  
formées par T<sub>5</sub>. Dans l'exemple donné ici, cet  
oligonucléotide circulaire comporte une structure  
bicaténaire correspondant à la séquence de reconnaissance du  
facteur de transcription hépatocytaire HNF-1. Un tel  
10 oligonucléotide peut être circularisé simplement en tirant  
partie de la structure secondaire bicaténaire formée par les  
séquence complémentaires. Le point de fermeture (c'est-à-  
dire les extrémités) de l'oligonucléotide seront choisies de  
façon à permettre la meilleure efficacité de circularisation  
15 par repliement intra-moléculaire. Ce point pourra être  
centré ou plus ou moins distal par rapport à la médiane de  
la structure secondaire centrale. Il convient également de  
noter que de tels oligonucléotides peuvent être synthétisé à  
partir non pas d'une réaction intra-moléculaire, mais par  
20 une réaction intermoléculaire, en utilisant deux  
oligonucléotides linéaires repliés sur eux-mêmes, présentant  
une structure bicaténaire partielle et générant des bouts  
cohésif, pouvant s'apparier entre-eux (voir le schéma en  
figure 6).

25

1-5-Pourra être utilisée pour cycliser des oligonucléotides  
devant comporter une région centrale bicaténaire une  
technique consistant à préparer deux oligonucléotides  
complémentaires, l'un long et l'autre court, le second  
30 hybridant dans la partie centrale du premier. Par l'action  
de la ligase de T<sub>4</sub>, il est possible de joindre les deux  
extrémités du long oligonucléotides aux extrémités de  
l'oligonucléotide apparié, même si il n'y a pas d'homologies  
de séquence permettant la formation d'un auto-appariement au  
35 niveau des séquences distales 3' et 5'. Un tel mécanisme  
aboutit à la formation d'une structure oligonucléotidique

0 circulaire fermée comportant une partie bicaténaire centrale.

1-6-Pour la préparation d'oligonucléotides circulaires en série ribo- (oligoribonucléotides) à partir 5 d'oligoribonucléotides linéaires, les techniques utilisables sont de même ordre que celles décrites ci-dessus. Cependant il est également possible d'utiliser un enzyme, la RNA ligase de T4 qui est capable d'effectuer spontanément des circularisation d'oligonucléotides en série ribo- ou 10 désoxyribo-. Cet enzyme permet, en présence d'ATP, de clore des oligonucléotides linéaires et de les convertir en oligonucléotides circulaires. Il est donc possible, sans matrice particulière, et en l'absence de tout oligonucléotide adaptateur de circulariser ainsi des 15 oligoribonucléotides. Ce même enzyme permet également de circulariser des oligodésoxyribonucléotides, mais avec une efficacité beaucoup moins élevée que lorsqu'il s'agit d'oligoribonucléotides. La RNA T4 ligase sera employée avantagéusement pour circulariser des oligonucléotides 20 antisens comportant une activité ribozymique, ou bien pour circulariser des ARN "sens", comme par exemple les séquences d'interaction avec des transactivateurs de type tat de HIV.

1-7-Les procédures décrites ci-dessus font toutes intervenir 25 des enzymes de ligation pour former des liaisons phosphodiester et clore les molécules linéaires. Pourront être utilisées pour circulariser des oligonucléotides dans

---

0 circulaires faisant l'objet de l'invention, soit des enzymes de ligation en solution, soit des enzymes fixées sur un support dans le but d'augmenter le rendement de la réaction et/ou d'en diminuer le coût.

Pourront également être utilisées pour préparer les  
5 molécules circulaires faisant l'objet de l'invention tout réactif chimique permettant une ligation chimique. Par exemple, et de façon non limitative, pourraient être utilisés des réactifs tels que le carbodiimide ou le bromure de cyanogène.

10

2 AUTRES VOIES CHIMIQUE DE PRÉPARATION DES OLIGONUCLÉOTIDES CIRCULAIRES ET/OU FERMÉS

La préparation d'oligonucléotides fermés dans un but  
15 d'application pharmacologiques, que ce soit pour des expérimentations sur l'animal ou pour la préparation de composés pharmaceutiques utilisera avantageusement des méthodes chimiques permettant la préparation des quantités importantes requises.

20 Plusieurs voies pourront être utilisées, en particulier on pourra soit synthétiser des oligonucléotides linéaires par les voies usuelles que l'on fermera ensuite par ligation chimique ou par une liaison faisant intervenir des nucléotides terminaux, soit synthétiser des oligonucléotides  
25 pouvant faire l'objet d'une cyclisation directement en dernière étape de la synthèse chimique.

#### 2-1-Synthèse chimique d'oligonucléotides cycliques

30 Plusieurs procédures de préparation d'oligonucléotides cycliques ont été décrites (Barbato et al, 1989, de Vroom et al., 1988). Ces approches, en phase liquide ou sur support, permettent d'obtenir de courts oligonucléotides cycliques. Par exemple, on peut utiliser une technique consistant à  
35 fixer un premier résidu nucléotidique par l'intermédiaire du groupe amine exocyclique. A partir d'un tel support,

0 l'assemblage de l'oligonucléotide peut s'effectuer à partir des deux extrémités 3' et 5' qui sont protégés et disponibles. La cyclisation est effectuée, un fois la synthèse achevée, en utilisant par exemple du MSNT, après déblocage des groupements protecteurs des deux extrémités.

5

Pourront être utilisées pour synthétiser des oligonucléotides cycliques dans le but de fabriquer des molécules antisens ou sens résistantes aux exonucléases, tout procédé de synthèse permettant l'élongation d'une  
10 chaîne polynucléotidique à partir des deux extrémités 3' et 5', et la réunion de ces deux extrémités après achèvement de l'élongation de la séquence choisie. Pourront être utilisés tout procédés permettant la réunion chimique de deux oligonucléotides linéaires synthétisés indépendamment et  
15 réassociés ensuite pour former une structure fermée au moyen d'une réaction chimique spécifique des extrémités.

#### 2-2-Fermeture et cyclisation d'oligonucléotides linéaires

20 Divers procédés pourront être utilisés pour fermer des oligonucléotides linéaires afin de former des structures closes faisant l'objet de l'invention. Dans ces structures, l'un, l'autre, ou les deux nucléotides terminaux seront engagées dans une liaison de couplage. En dehors des  
25 structures strictement circulaires décrites plus haut, et que l'on pourra obtenir soit par ligation soit par tout autre réaction chimique, diverses d'autres structures fermées déjà évoquées pourront étre obtenues par couplage chimique.

30 C'est le cas en particulier des structures en lasso ou l'un des nucléotides terminaux -avantageusement le nucléotide 3' terminal- est couplé à l'un des nucléotides de la partie 5' de l'oligonucléotide. De telles structures pourront être obtenues en utilisant des nucléotides modifiés capables  
35 d'établir des pontages avec d'autres parties de la molécule. C'est le cas également des structures en ballon, dans

- 0 lesquelles un pontage a été établi par tout agent entre  
deux ou plus de deux nucléotides situés dans les régions  
terminales de l'oligonucléotide, ces régions étant appariés  
un petit nombre de nucléotides, préférentiellement sur 4 à  
10 nucléotides.
- 5 C'est le cas également des oligonucléotides qui seront  
fermés par l'intermédiaire de tout groupement, toute  
molécule ou macromolécule permettant un couplage des  
nucléotides terminaux entre-eux, ou entre un nucléotide  
terminal et un nucléotide interne, et pouvant accroître  
10 l'efficacité du composé en terme de son action intra-  
cellulaire antisens ou sens. A titre d'exemple, on pourra  
utiliser pour cycliser les oligonucléotide des polypeptides  
longs par exemple de 5 à 100 acides aminés, l'enchaînement  
polypeptidique devant avoir une masse suffisante pour être  
15 reconnu par des récepteurs cellulaires et permettre une  
meilleure internalisation ou un meilleur adressage.

#### IV. EXEMPLES D'APPLICATION

- 20 Les oligonucléotides fermés, en particulier circulaires,  
faisant l'objet de l'invention décrite ici pourront être  
utilisés dans tous les cas où il sera avantageux de disposer  
d'un oligonucléotide présentant une résistance accrue aux  
exonucléases par rapport à un oligonucléotide linéaire.
- 25 Les oligonucléotides fermés, pourront en particulier être  
utilisés comme agents antisens ou sens pour agir de façon  
spécifique sur la transcription ou la traduction de  
protéine(s) dont on désire moduler le niveau d'expression  
30 dans un but de recherche ou de thérapeutique.

Les quelques applications possibles qui sont donnés ci-  
dessous ne sont que des exemples non-exhaustifs et en aucun  
cas limitatifs de situations dans lesquelles une approche de  
35 type antisens, ou sens, pourrait être envisageable, et où  
l'utilisation d'oligonucléotides naturels résistants aux



0 exonucléases et présentant une toxicité des plus réduites offrirait un avantage.

Plus particulièrement, les composés selon l'invention sont utilisables à titre d'agent thérapeutique, notamment comme  
5 agent anti-viral ou anti-cancéreux, en particulier dans des compositions pharmaceutiques pour usage topique externe, ou pour usage systémique.

Mais ils peuvent également être des inducteurs d'immuno-  
10 modulateurs naturels tels que l'interféron. Il est possible également de les utiliser en diagnostic in vitro ou in vivo

De façon générale, les oligonucléotides fermés, naturels et circulaires en particuliers, trouveront des terrains  
15 d'applications particulièrement adaptés dans le domaine de la dermatologie en raison de l'accessibilité des cibles à traiter, et de la toxicité mineure ou inexistante de ces composés. Toutes les affections dermatologiques, pouvant relever d'un mécanisme de dysfonctionnement génétique pour  
20 lesquelles on pourra identifier un facteur étiologique, en connaître la séquence du gène, et/ou de l'ARN messager permettra d'envisager potentiellement une approche anti-sens, -ou même une approche "sens" dans certains cas favorables-.

25 L'utilisation d'oligonucléotides naturels, donc présentant la toxicité la plus réduite, permet d'envisager la possibilité de ce genre d'approche pour des affections graves ou mineures, et même éventuellement pour des utilisations de type cosmétologiques, c'est-à-dire sur peau  
30 saine, et dans un domaine d'application où les toxicités des produits doivent être les plus basses possibles.

A côté des cibles virales définies plus loin, de nombreuses maladies dermatologiques pourraient être traitées par des  
35 oligonucléotides naturels circulaires ou fermés résistants aux exonucléases. Parmi les cibles potentielles de telles

0 approches, on peut noter les maladies inflammatoires telles que les dermatites atopiques ou le lupus érythémateux, les maladies de la kératinisation comme l'ichtyose et le psoriasis, et les maladies tumorales comme le mélanome ou le lymphome T cutané. Ainsi par exemple, des oligonucléotides  
5 antisens circulaires appliqués à la dermatologie pourraient être dirigés contre des ARN messagers de médiateurs de l'inflammation comme des interleukines, contre des RNA messagers de protéines impliquées dans les troubles de la prolifération des cellules épidermiques, ou bien contre des  
10 ARN messagers codant pour des protéines impliqués éventuellement dans le vieillissement cutané phénotypique, comme par exemple la collagénase, l'élastase, les transglutaminases.

15 De façon plus générale, les oligonucléotides fermés, naturels et circulaires principalement, pourraient par exemple être utilisés comme agents antiviraux, antisens, ou sens, que ce soit pour des indications topiques (dermatologiques) ou pour des indications systémiques. Par  
20 exemple, de tels oligonucléotides pourraient être utilisés comme agents anti-herpétiques (HSV 1 et HSV 2, CMV, EBV), comme agents anti-papillomavirus (HPV cutanés, génitaux, laryngés ou autres), comme agents anti-hépatites (HBV, HCV, HDV), comme agents anti-HIV (HIV-1 et HIV-2), comme agent  
25 anti-HTLV (HTLV-1 ou HTLV-2), etc..

Ces oligonucléotides circulaires, pourraient également être utilisés comme agents de répression de l'expression de certaines protéines cellulaires directement responsables ou impliquées dans l'étiologie de maladies de la prolifération  
30 et de la différenciation cellulaire. Par exemple, ces oligonucléotides circulaires pourraient être dirigés contre l'expression d'oncogènes cellulaires hyper-exprimés ou exprimés de façon incontrôlés dans des types cellulaires tumoraux (RAS, ERB, NEU, SIS, MYC, MYB, etc...).

35 En particulier, ces oligonucléotides circulaires naturels résistants aux exonucléases sériques pourraient être

0 utilisés comme agent antisens dirigés contre des ARN  
messagers d'oncogènes exprimés dans des cellules leucémiques  
et impliqués dans leur prolifération, ou bien comme agents  
"sens" dirigés contre des protéines à affinité pour  
certaines séquences de l'ADN et exprimées à des niveaux  
5 pathologiques dans certaines de ces maladies prolifératives.  
Dans le cadre du traitement de certaines leucémies, pour des  
greffes de moelle, les oligonucléotides fermés, circulaires,  
pourront être utilisés dans le cadre d'applications "ex  
vivo".

10

Pour ces nombreuses indications, des formulations galéniques  
adéquates pourront être établies afin d'optimiser la  
délivrance de ces molécules à leurs cellules cibles. Ainsi,  
par exemple, des oligonucléotides fermés, circulaires en  
15 particulier, pourront être encapsulés dans des liposomes,  
des nano-particules, des particules LDL, ou dans tout autre  
type de micro-sphère permettant une conservation adéquate,  
et favorisant le ciblage. Les molécules oligonucléotidiques  
fermées, circulaires par exemple, pourraient également être  
20 associées à des agents surfactants cationiques. Il est bien  
évident que ces quelques exemples ne sont ni exhaustifs ni  
limitatifs.

Les oligonucléotides fermés, circulaires en particulier,  
25 faisant l'objet de l'invention décrite ici, sont donc  
susceptibles d'être inclus dans toutes sortes de  
préparations pharmaceutiques, à des concentrations variables  
selon les indications.

En particulier, les applications dermatologiques évoquées  
30 plus haut exigeront la préparation de crèmes, solutions,  
émulsions, lotions, gels, sprays, poudres, aérosols, etc.,  
préparés en associant l'oligonucléotide circulaire -ou  
fermé- de séquence choisie, avec les composants  
pharmaceutiques usuels entrants dans la composition de ces  
35 produits. Par exemple, pour des préparations destinées à des  
applications topiques en dermatologie, les oligonucléotides

0 circulaires, ou fermés, pourront être associés à toutes  
sortes d'agents de préservation, comme l'hydroxybenzoate de  
méthyle ou de propyle, le chlorure de benzalkonium par  
exemple, et à d'autres agents de stabilisation,  
d'émulsification, de dispersion, de suspension, de  
5 solubilisation, de coloration, d'épaississement, de  
fragrances, etc...

On doit noter que certaines de ces compositions, en  
particulier les compositions destinées à des applications  
topiques pour des indications en dermatologie, pourront  
10 associer à la fois des oligonucléotides circulaires -ou  
fermés- avec d'autres principes actifs comme par exemple des  
agents bactériostatiques, ou antiseptiques, ou  
antimicrobiens, ou antibiotiques, ou analgésiques, ou  
antipruritisques, etc...

15 Tous ces exemples ne sont donnés que pour illustrer le  
propos et ne sont ni exhaustifs ni limitatifs.

#### V. PROPRIETES ET AVANTAGES DES OLIGONUCLEOTIDES FERMES

20 Les exemples expérimentaux sont donnés ci-dessous pour  
illustrer les avantages d'un oligonucléotide fermé sur un  
oligonucléotide "ouvert", linéaire, de même séquence. Ces  
exemples sont tirés d'expériences réalisées avec des  
oligonucléotides circularisés selon le procédé indiqué dans  
25 la partie "obtention des oligonucléotides fermés",  
paragraphe 1-3. Les oligonucléotides fermés dont il est  
question ici sont donc des oligonucléotides circulaires,  
composés de nucléotides naturels, reliés entre eux par des  
liaisons phosphodiester non modifiées.

30

La description et les exemples font référence aux figures  
ci-annexées sur lesquelles portent les légendes suivantes :

Figure 1:

35

A-Exemples de structures d'oligonucléotides antisens fermés.

0 B-Exemples de structures d'oligonucléotides sens fermés.

C-Molécule mixte pouvant exercer un effet sens et antisens.

D-Structure des bases composant les oligonucléotides et  
5 structure de la liaison phosphodiester reliant les  
nucléotides naturels entre eux.

Figure 2:

10 A-Représentation schématique de certaines des modifications  
pouvant être utilisées pour accroître la stabilité de la  
liaison phosphodiester et en particulier sa résistance aux  
endonucléases.

15 B-Représentation de quelques agents réactifs de type  
intercalants pouvant être couplés aux oligonucléotides  
antisens.

Figure 3:

20

Exemple d'un ribozyme circulaire comportant le site  
catalytique dit "en T" et une boucle d'ARN pouvant être  
complémentaire à une séquence cible.

25 Figure 4:

A-Représentation schématique d'un oligonucléotide circulaire  
composé de nucléotides naturels reliés entre-eux par des  
liaisons phosphodiesters non modifiées.

30

B-Représentation schématique d'un nucléotide fermé en lasso  
avec extrémité 5' libre et extrémité 3' bloquée dans le  
pontage intra-caténaire.

35

0 C-Représentation schématique d'un oligonucléotide fermé en ballon, avec une liaison intra-caténaire établie entre les pénultièmes nucléotides terminaux 5' et 3'. Ce type de structure peut comporter une ou plusieurs liaisons intercaténares entre l'une quelconque des paires de 5 nucléotides appariés formant la queue du ballon.

D-Représentation schématique d'un oligonucléotide fermé par un peptide (oligopeptide).

10 E-Représentation schématique d'un oligonucléotide circulaire comportant une extension peptidique latérale.

Figure 5:

15 A-Représentation schématique d'un oligonucléotide fermé, circulaire, comportant une région bicaténaire auto-appariée partielle.

B-Représentation schématique d'un oligonucléotide fermé,  
20 circulaire, composé d'une longue séquence bicaténaire auto-appariée (séquence de reconnaissance d'un facteur de transcription par exemple) et de deux boucles de jonction poly(T).

25 Figure 6-

A-Circularisation d'un oligonucléotide linéaire en utilisant un oligonucléotide partiellement complémentaire comme guide et la ligase de T4.

30

B-Circularisation d'un oligonucléotide linéaire en utilisant un oligonucléotide partiellement complémentaire comme guide fixé sur un support et la ligase de T4.

35 C-Circularisation d'un oligonucléotide comportant une région d'auto-appariement au moyen de la ligase de T4.

0

D-Exemple de réaction bimoléculaire entre deux oligonucléotides auto-appariés et présentant des bouts cohésifs, permettant de générer un oligonucléotide portant une longue région bicaténaire et deux boucles d'adaptation.

5

Figure 7:

A-Autoradiographie d'un gel de polyacrylamide sur lequel on a fait migrer divers oligonucléotides (circulaires et  
10 linéaires) après traitement par différents enzymes exonucléolytiques.

La séquence de l'oligonucléotide c7 est celle décrite dans la Figure 6C; les oligonucléotides c6 et c8 sont composés de séquences différentes mais pouvant adopter le même type de  
15 structure que c7, c'est-à-dire une structure fermée avec partie bicaténaire centrale.

Les conditions de ligation des oligonucléotides c6, c7 et c8 sont celles décrites dans "Propriétés et avantages des oligonucléotides fermés -1". 1 µg d'oligonucléotide  
20 radioactif provenant de la réaction de ligation (pistes 5 à 8) ou 1 µg d'oligonucléotide linéaire correspondant (pistes 1 à 4) ont été analysés sur gel de polyacrylamide 15%/7M urée sans traitement postérieur (pistes 4 et 5), ou après incubation avec la phosphatase alcaline (pistes 3 et 6),  
25 avec l'exonucléase VII (pistes 2 et 7) ou avec la phosphodiésterase I (pistes 1 et 8) dans les conditions décrites dans "Propriétés et avantages des oligonucléotides fermés -2".

L indique la position de migration des oligonucléotides  
30 linéaires ; F indique la position de migration des oligonucléotides fermés.

B-Autoradiographie d'un gel de polyacrylamide sur lequel on a fait migrer des oligonucléotides linéaires ou circulaires  
35 après incubation en présence de sérum.

1 µg de l'oligonucléotide radioactif c7 ( dont la séquence

0 est donnée en figure 6C) linéaire (L) ou fermé (F), ont été préparés et purifiés comme décrit dans "Propriétés et avantages des oligonucléotides fermés-1". Après incubation à 37°C pendant les temps indiqués en présence de DMEM contenant 10% sérum de veau foetal, les produits ont été analysés sur gel de polyacrylamide 15%/7M urée dans les conditions détaillées dans "Propriétés et avantages des oligonucléotides fermés-3".

C-Représentation graphique de la dégradation (mesurée par analyse sur gel comme décrit précédemment) des oligonucléotides c7L (linéaires) et c7F (circulaires) après incubation dans 10% de sérum de veau foetal, comme décrit précédemment, du temps t=0 au temps t=96 heures. Pour obtenir une quantification, les fragments de gel correspondant aux localisation des bandes, observées par autoradiographie, ont été découpées et leur radioactivité mesurée par comptage dans un compteur à scintillation. On exprime les résultats en pourcentage de dégradation par rapport à la radioactivité du temps t=0.

20

Figure 8:

A-Autoradiographie d'un gel de polyacrylamide non dénaturant sur lequel on a fait migrer des oligonucléotides linéaires ou circulaires après hybridation avec des oligonucléotides comportant des séquences complémentaires, en série désoxyribo- ou ribo-.

300 ng de l'oligonucléotide radioactif c7 fermé (F) ou 160 ng de l'oligonucléotide c7 linéaire (L) ont été incubés avec des quantités croissantes d'un oligonucléotide non complémentaire (pistes a à g) ou d'un oligonucléotide 42-mer (12; pistes h à n) complémentaire de 21 nucléotides de la grande boucle de c7 (Figure 6C). La quantité d'oligonucléotide froide ajoutée est de 0 (pistes a et h), 30 ng (b et i), 60 ng (c et j), 150 ng (d et k), 300 ng (e et l), 750 ng (f et m) ou 1500 ng (g et n). Après hybridation



0 dans les conditions décrites dans "Propriétés et avantages des oligonucléotides fermés-4-1", les produits ont été analysés sur gel non dénaturant de polyacrylamide 20%.

Les flèches indiquent les positions des oligonucléotides c7 fermé (F), linéaire (L) et des hybrides c7L/12 et c7F/12.

5

B-Autoradiographie d'un gel de polyacrylamide dénaturant sur lequel on a fait migrer des oligonucléotides linéaires ou circulaires hybridés ou non avec des oligoribonucléotides comportant une région complémentaire puis traités à la

10 nucléase S1.

300 ng de l'oligonucléotide c7 fermé (F) ou linéaire (L), synthétisés et purifiés comme décrit dans la Figure 8A, ou 300 ng d'un oligonucléotide froid 42-mer (12) ont été incubés avec 1 ng d'un ARN long de 43 nucléotides transcrit *in vitro* et marqué au <sup>32</sup>P à haute activité spécifique ("Propriétés et avantages des oligonucléotides fermés-4-2").

L'ARN 43-mer comporte 27 bases complémentaires des 21 nucléotides de la grande boucle plus 6 nucléotides de la région auto-appariée de c7F (Figure 6C); il est aussi 20 complémentaire de 37 bases de l'oligonucléotide 42-mer 12.

Après hybridation, les produits sont analysés sur gel de polyacrylamide 20%/7M urée directement (piste 1) ou après incubation de 3 minutes (piste 3) ou 30 minutes (piste 4) en présence de la nucléase S1 ou 30 minutes en absence de 25 nucléase S1 (piste 2) dans les conditions décrites dans "Propriétés et avantages des oligonucléotides fermés-4-2". La partie gauche de la figure (-) montre les résultats obtenus avec l'ARN 43-mer incubé seul.

Piste 5: ARN 43-mer n'ayant subi aucun traitement postérieur 30 à la transcription.

Les flèches indiquent les positions des oligonucléotides ARN 43-mer, c7 fermé (F), c7 linéaire (L) ainsi que celles des ARN protégés (RNA 37, 27 et 21).

35 C-Autoradiographie d'un gel de polyacrylamide dénaturant sur lequel on a fait migrer des oligonucléotides linéaires ou

0 circulaires hybridés ou non avec des oligoribonucléotides comportant une région complémentaire et que l'on a ensuite traités à la RNase H.

Les oligonucléotides testés (RNA 43, c7F, C7L et 12), ainsi que les conditions d'hybridation, sont les mêmes que ceux 5 décrits dans la Figure 8B. Après hybridation, les produits de la réaction ont été incubés en absence (-) ou présence (+) de la RNase H et ont été analysés sur gel de polyacrylamide 20%/7M urée dans les conditions décrites dans "Propriétés et avantages des oligonucléotides fermés-5". Les flèches 10 indiquent les positions de l'ARN 43-mer, c7 fermé (F) ou c7 linéaire (L).

Figure 9 :

15 Analyse des effets d'oligonucléotides linéaires ou circulaires sur la croissance cellulaire.

Figure 10 :

20 Etude des effets inhibiteurs d'oligonucléotides antisens linéaires ou circulaires sur la multiplication du virus HSV-1.

Figure 11 :

25 Gel de retard illustrant la fixation du facteur de transcription HNF-1 par des oligonucléotides de type sens, linéaires bicaténaires ou fermés circularisation. Les abréviations utilisées dans cette légende se réfèrent à la 30 nomenclature utilisée dans l'exemple 7.

- 01 HNF-1 LB sans extrait nucléaire
- 02 HNF-1 LB +1µg extrait nucléaire de foie
- 03 HNF-1 C1 sans extrait nucléaire
- 35 04 HNF-1 C1 +1µg extrait nucléaire de foie
- 05 HNF-1 C1 non ligué sans extrait nucléaire

- 0 06 HNF-1 C1 non ligué +1µg extrait nucléaire de foie
- 07 HNF-1 C2 sans extrait nucléaire
- 08 HNF-1 C2 +1µg extrait nucléaire de foie
- 09 HNF-1 C2 non ligué sans extrait nucléaire
- 10 HNF-1 C2 non ligué +1µg extrait nucléaire de foie
- 5 11 HNF-1 C3 sans extrait nucléaire
- 12 HNF-1 C3 +1µg extrait nucléaire de foie
- 13 HNF-1 C3 non ligué sans extrait nucléaire
- 14 HNF-1 C3 non ligué +1µg extrait nucléaire de foie

10 HNF-1C1, C2, C3 représentent 3 préparations différentes de l'oligonucléotide sens HNF-1 C.

#### Exemple 1

Obtention d'oligonucléotides fermés comportant une région  
15 d'autoappariement au moyen de la ADN ligase de T4.

Les conditions expérimentales permettant la fermeture/ligation efficace des oligonucléotides dont les séquences sont données dans la Figure 7A sont les suivantes:

20 11 µM d'oligonucléotide linéaire marqué en 5' avec du g <sup>32</sup>P ATP (150 µg; activité spécifique= 2-3 x10<sup>5</sup> cpm/µg), 50 mM Tris-HCl pH 7.8, 10 mM MgCl<sub>2</sub>, 20 mM DTT, 1 mM BSA sur M ATP et 10.000 unités de l'ADN ligase de T4 (2.000 u/µl; New England Biolabs) dans un volume total de 1 ml. Après

25 incubation pendant 48 heures à 4°C., les mélanges de réaction sont extraits au phénol/chloroforme/alcool isoamilique, précipités à l'éthanol absolu, lavés à l'éthanol 80% et séchés. Les produits de ligation sont ensuite séparés de l'oligonucléotide non ligué par

30 électrophorèse dénaturante en gel de polyacrylamide 20%/7 M urée. Les positions des oligonucléotides peuvent être observées directement par interférence de fluorescence en irradiant à 212 nm le gel placé sur une plaque contenant un chromophore fluorescent aux ultraviolets, ou bien par

35 autoradiographie. L'oligonucléotide monomérique ligué se caractérise par une migration ralentie par rapport à son

0 homologue non ligué (Figure 7A et B). Les bandes correspondantes à l'oligonucléotide monomérique fermé et à son homologue linéaire non ligué sont excisées du gel, et l'ADN est isolé par les techniques classiques d'extraction de gels de polyacrylamide. Dans le cas des séquences 5 considérées, le rendement de formation de l'oligonucléotide monomérique fermé est de l'ordre de 65 à 75%.

Alternativement, les produits de la réaction de ligation peuvent être analysés sans purification préalable, directement après inactivation de la ADN ligase en chauffant 10 le milieu de ligation pendant 2 minutes à 90°C

#### Exemple 2

#### Résistance des oligonucléotides circulaires en série désoxyribo- aux nucléases et aux phosphatases

15

Nous avons comparé la résistance des oligonucléotides circulaires et linéaires à l'action de la phosphatase alcaline (phosphomonoestérase hydrolysant les phosphates 3' et 5' de l'ADN et de l'ARN), de l'exonucléase VII 20 (exodésoxyribonucléase digérant l'ADN monocaténaire depuis les deux extrémités 3' et 5'), et de la phosphodiesterase I (exonucléase digérant l'ADN ou l'ARN à partir du 3' OH) Pour cette expérience, les oligonucléotides 5' <sup>32</sup>P dont les séquences sont indiquées dans la Figure 7A ont été préparés 25 comme décrit ci-dessus (paragraphe 1). Après ligation, les mélanges réactionnels ont été chauffés pendant 2 minutes à 90°C afin d'inactiver l'ADN ligase.

1 µg d'oligonucléotide provenant de la réaction de ligation ou 1 µg de l'oligonucléotide linéaire homologue, non- 30 circularisé et utilisé à titre de témoin, ont été incubés à 37°C dans un volume de 10 µl de 50 mM Tris HCl pH 7.5, 10 mM MgCl<sub>2</sub>, 20 mM DTT en présence de 1 unité de phosphatase intestinale de veau (CIP) ou de 1 unité d'exonucléase VII de *E. coli* pendant 1 heure, ou de 5 x 10<sup>-5</sup> unités de 35 phosphodiesterase I de *Crotalus durissus* pendant 10 minutes. Après incubation, les produits de la réaction sont analysés

0 sur gel de polyacrylamide 15% dans des conditions dénaturantes. Le résultat du gel est présenté en Figure 7A.

On observe sur l'autoradiographie de ce gel que:

-les oligonucléotides fermés circulaires sont résistants à la phosphatase alors que les oligonucléotides  
5 linéaires y sont sensibles;

-les oligonucléotides fermés circulaires sont résistants à l'action de l'exonucléase VII alors que les oligonucléotides linéaires y sont sensibles;

-les oligonucléotides fermés circulaires sont  
10 résistants à l'action de la phosphodiesterase I alors que les oligonucléotides linéaires y sont sensibles.

Cette expérience montre que les oligonucléotides préparés comme indiqué plus haut sont bien des molécules circulaires  
15 fermées de façon covalente, et que ces molécules présentent une résistance totale aux enzymes exonucléolytiques.

### Exemple 3

#### Résistance des oligonucléotides circulaires fermés aux 20 nucléases sériques

Les oligonucléotides fermés circulaires présentent une résistance à la dégradation nucléolytique supérieure à celle des oligonucléotides linéaires lorsqu'ils sont incubés en  
25 présence de sérum.

1 µg d'oligonucléotide fermé et 1 µg d'oligonucléotide linéaire correspondant, préparés et purifiés après ligation comme décrit dans le paragraphe 1, sont incubés à 37°C dans 10 µl de milieu DMEM contenant 10% de sérum de veau foetal.  
30 La cinétique de la réaction est suivie jusqu'à 96 heures, et les prélèvements effectués en fonction du temps analysée sur gel de polyacrylamide 15% en conditions dénaturantes. L'autoradiographie d'un gel d'analyse de la dégradation sur 24 heures est présenté en Figure 7B.

35 La figure 7-C est la représentation graphique d'une étude sur 96 heures de la dégradation d'un oligonucléotide

0 linéaire (c7L) en comparaison avec la dégradation d'un oligonucléotide circulaire (c7F) dans les conditions décrites ci-dessus. Ce graphique met en évidence les différences considérables de stabilités entre ces deux types d'oligonucléotides.

5 Ces expériences permettent de tirer les conclusions suivantes:

-les oligonucléotides linéaires sont rapidement dégradés par les nucléases du sérum. La dégradation intervient dès les premières minutes de l'incubation, et est  
10 complète après quelques heures;

-le temps de demie-vie d'un oligonucléotide linéaire normal, non modifié, est très inférieur à 1 heure, cette durée pouvant varier légèrement en plus ou en moins selon les sérums utilisés;

15 -la dégradation des oligonucléotides linéaires est processive, et on observe l'apparition de produits de dégradation de longueur décroissante, devenant de plus en plus courts en fonction du temps, ce qui indique que la dégradation est principalement le fait d'exonucléases, et en  
20 particulier de 3'. exo;

-en revanche, les oligonucléotides fermés sont résistants à la nucléolyse par les enzymes sériques, et moins de 60% de conversion en produits de dégradation est observée même après 96 heures (4 jours) d'incubation à 37°C.

25 -le temps de demie-vie d'un oligonucléotide circulaire fermé dans le sérum est très supérieur à 24 heures.

Ces résultats confirment que la dégradation des oligonucléotides antisens dans le sérum est principalement  
30 le fait d'exonucléases et non pas d'endonucléases et mettent en évidence la résistance à la dégradation des oligonucléotides fermés.

Des oligonucléotides fermés naturels, ne portant pas de  
35 modifications chimiques particulières, présentent une résistance aux nucléases sériques similaire à la résistance

0 décrite pour des dérivés modifiés. Cette expérience montre  
donc que dans des condition standards d'incubation  
d'oligonucléotides en présence de sérum, les  
oligonucléotides fermés qui font l'objet de ce brevet  
présentent un avantage notable sur les oligonucléotides  
5 linéaires.

#### Exemple 4

#### Hybridation d'oligonucléotides fermés en série désoxyribo- avec de l'ADN et de l'ARN

10

Pour présenter un effet antisens, les oligonucléotides  
antisens doivent pouvoir hybrider avec leur cible dans des  
conditions de stabilité satisfaisante. Nous avons analysé  
l'hybridation entre des oligonucléotides fermés et des  
15 polynucléotides portant des séquences complémentaires, soit  
en série ribo- soit en série désoxyribo-.

#### Exemple 4-1

#### Mise en évidence de l'hybridation entre un oligonucléotide 20 fermé et un ADN linéaire

On incube 300 ng d'oligonucléotide circulaire fermé, préparé  
et purifié comme décrit ci-dessus, -ou 160 ng de  
l'oligonucléotide homologue linéaire à titre de témoin- avec  
25 un oligomer froid long de 42 nucléotides comportant une  
séquence de 21 nucléotides complémentaire aux 21 bases  
formant la grande boucle dans la structure fermée (voir la  
séquence de la Figure 6C) Les rapports molaires entre  
l'oligonucléotide marqué et l'oligonucléotide complémentaire  
30 froid varient de 10:1 à 1:5 L'hybridation se fait pendant 1  
heure à 37°C dans 1X SSC (150 mM NaCl, 15 mM Na<sub>3</sub>citrate, pH  
7.0). Après incubation, les produits sont analysés sur gel  
de 20% polyacrylamide non dénaturant. Les résultats de  
l'autoradiographie du gel sont présentés en Figure 8A.  
35 On observe sur ce gel que les cinétiques de déplacement des  
bandes entre les positions monocaténaire et bicaténaire sont

0 identiques pour les oligonucléotides linéaires et les oligonucléotides fermés. Ce résultat signifie que les efficacités d'hybridation entre un oligonucléotide fermé et un ADN complémentaire sont identiques à celles d'un oligonucléotide linéaire avec une séquence complémentaire.

5

#### Exemple 4-2

#### Cartographie de l'hybridation entre un oligonucléotide fermé et un ARN linéaire

10 L'expérience suivante consiste à analyser par la technique de protection à la nucléase S1 la position des régions bicaténaires lors de l'hybridation entre un desoxyribonucléotide fermé et un oligoribonucléotide comportant une séquence qui est complémentaire à la région  
15 en boucle de l'oligonucléotide fermé. La nucléase S1 est une endonucléase spécifique des acides nucléiques simple brin, qui ne digère que les séquences non appariées. C'est un enzyme qui permet de cartographier les régions qui sont sous forme bicaténaire et de les différencier des régions  
20 monocaténaires.

On incube un oligonucléotide fermé, synthétisé et purifié comme décrit plus haut, avec un ARN linéaire long de 43 nucléotides, comportant une séquence de 27 bases complémentaires aux 21 nucléotides de la boucle de  
25 l'oligonucléotide fermé et à 6 des nucléotides engagés dans la région auto-appariée (voir la séquence de la Figure 6C). Cet ARN a été transcrit par l'ARN polymérase de T7 à partir d'une matrice synthétique et marqué avec de l'a<sup>32</sup>P ATP à une activité spécifique élevée ( $2,3 \times 10^8$  cpm/ $\mu$ g). Après  
30 transcription l'ARN transcrit est purifié par électrophorèse sur gel de polyacrylamide 15%/7 M urée, élué du gel et précipité à l'éthanol, puis suspendu dans de l'eau.

Après incubation pendant 1 heure à 37°C de 300 ng d'oligonucléotide fermé ou de son homologue linéaire avec 1  
35 ng d'ARN dans 0.15 M NaCl, 0.1 M Hepes pH 7.9, 0.3 mM EDTA, on dilue le mélange de réaction 10 fois dans 50 mM NaCl, 33



0 mM acétate de sodium pH 4.4 et 30  $\mu$ M ZnSO<sub>4</sub> et on ajoute 4 unités de nucléase S1. On prélève des aliquotes après 3 minutes et 30 minutes de digestion à 37°C et on analyse les produits obtenus sur gel de polyacrylamide 20% dans des conditions dénaturantes. A titre de contrôle, on a également 5 incubé dans des conditions identiques l'ARN radioactif en présence d'un oligonucléotide linéaire complémentaire à l'ARN sur 37 nucléotides.

Les résultats de cette expérience sont présentés en Figure 8B

10 On observe sur ce gel que:

-L'ARN incubé en l'absence d'oligonucléotide complémentaire ou en présence d'un oligonucléotide non complémentaire, est effectivement non hybridé et complètement digéré par la nucléase S1;

15 -l'ARN incubé avec un oligonucléotide linéaire contrôle est protégé de la digestion sur une longueur de 37 nucléotides, ce qui correspond à la longueur des séquences complémentaires; après 30 minutes d'incubation le profil de protection se déplace vers des bandes centrées autour de 20 deux bandes majoritaires de 35 et 34 nucléotides, respectivement ce qui peut correspondre à une "respiration" de la molécule bicaténaire;

-l'ARN incubé avec l'oligonucléotide fermé présente un profil de protection caractéristique, avec plusieurs bandes 25 réparties selon une distribution centrées autour d'une bande de longueur de 27 nucléotides correspondant à la bande majoritaire; après 30 minutes d'incubation les bandes protégées majoritaires se situent au niveau de 20 et 21 nucléotides;

30 -le profil de protection observé lors de l'incubation de l'ARN avec un oligonucléotide de même séquence que l'oligonucléotide circularisé, mais linéaire est identique à celui de l'oligonucléotide circularisé;

-le schéma de protection de l'ARN par l'oligonucléotide 35 fermé montre donc que l'hybridation entre l'ARN et la boucle circulaire de l'oligonucléotide s'effectue sur une longueur

0 optimale de 21 nucléotides, comprenant ainsi la totalité de la boucle. L'ARN complémentaire peut même déplacer les nucléotides appariés dans la partie bicaténaire de l'oligonucléotide pour s'y hybrider.

5 Cette expérience démontre que l'hybridation entre un oligonucléotide fermé et un ARN comportant une région complémentaire à la boucle peut se réaliser dans des conditions de température et de force ionique standard et que l'hybride ainsi formé présente les caractéristique  
10 normales d'une molécule bicaténaire résistante à la nucléase S1.

#### Exemple 5

Activation de l'activité RNase H par un hybride formé entre  
15 un oligonucléotide circularisé fermé et un ARN linéaire

On sait que les effets antisens d'oligonucléotides complémentaires à un ARN messager sont, dans de nombreux cas, le résultat d'une action de la RNase H cellulaire sur  
20 le substrat ainsi formé. La RNase H est une activité enzymatique qui dégrade l'ARN lorsqu'il se trouve sous la forme d'un hybride ARN/ADN. Nous avons donc vérifié que l'hybridation entre un oligonucléotide antisens fermé et un ARN linéaire créait bien un substrat pour la RNase H.

25 La structure de l'ARN linéaire utilisé pour cette expérience ainsi que sa préparation ont été décrites au paragraphe ci-dessus.

L'hybridation de 300 ng d'oligonucléotide fermé ou de son homologue linéaire avec 1 ng d'ARN radioactif ( $2,3 \times 10^8$   
30 cpm/ $\mu$ g) comportant une région complémentaire à la partie en boucle de l'oligonucléotide antisens est réalisée dans les conditions décrites dans le paragraphe 4-2. Ces conditions assurent une hybridation de la totalité de l'ARN à l'ADN complémentaire. On dira que la réaction d'hybridation est  
35 "conduite" par l'ADN. Après incubation, on dilue 10 fois le volume, en ajustant le tampon d'incubation à 20 mM Tris HCl

0 pH 7.5, 100 mM KCl, 10 mM MgCl<sub>2</sub>, 0.1 mM DTT, et on ajoute 2 unités de RNase H. On incube à 37°C pendant 20 minutes et on analyse les produits de la réaction comme ci-dessus. Les résultats du gel sont présentés dans la Figure 8C.

On observe sur ce gel que:

5 -l'ARN marqué non hybridé avec une séquence d'ADN complémentaire est complètement résistant à l'action de la RNase H;

-l'ARN marqué, long de 43 nucléotides, hybridé avec un oligonucléotide linéaire contrôle complémentaire à 37 bases  
10 de l'ARN devient partiellement sensible à l'action de la RNase H, et donne des produits de dégradation;

-l'ARN marqué hybridé avec un oligonucléotide fermé, dont la boucle est complémentaire à 21 nucléotides de cet ARN, devient très sensible à l'action de la RNase H et donne  
15 une série de produits de dégradation dont les longueurs sont compatibles avec les analyses de protections à la S1 décrites dans le paragraphe ci-dessus.

En fait l'expérience d'induction de substrat pour la RNase H  
20 est l'image en miroir de l'expérience de protection à la S1 et les résultats obtenus dans les deux cas sont tout à fait cohérents, indiquant à la fois des positions d'hybridations similaires et montrant qu'un substrat pour la RNase H peut être créé par hybridation entre un ARN linéaire et un  
25 oligodésoxyribonucléotide circulaire.

Cette expérience montre donc qu'un ARN linéaire hybridé partiellement à un oligodésoxyribonucléotide fermé devient un substrat pour la RNase H, ce qui implique qu'un ADN  
30 circulaire hybridé à un ARN messenger cible peut exercer un effet antisens par le biais de l'action de cet enzyme sur un substrat ainsi généré. De plus, cette expérience montre également que, dans des conditions expérimentales de concentration identiques, le substrat ARN/ADN circulaire  
35 donne lieu à une dégradation plus importante par la RNase H que le substrat ARN/ADN linéaire. Dans des conditions

0 identiques, toutes choses étant égales par ailleurs, les oligodésoxyribonucléotides antisens circulaires présentent donc un avantage supplémentaire sur les oligonucléotides antisens linéaires.

#### 5 EXEMPLE 6

Inhibition de la multiplication du virus Herpès Simplex type 1 (HSV-1) par des oligonucléotides antisens circulaires.

L'oligonucléotide GT, dont la séquence est donnée ci-dessous  
10 a été synthétisé, circularisé ou non, et utilisé dans les expériences décrites ici, soit sous forme linéaire, soit sous forme circulaire.

#### 1-Protocoles expérimentaux

15

Séquence et circularisation de l'oligonucléotide GT

Séquence de GT: 5' GTG GGA CGT TCC TCC TGC GGG AAG CGG C 3'

20 Pour permettre une circularisation chimique efficace, l'oligonucléotide GT a été synthétisé sous forme 3'P, et circularisé en positionnant les extrémités 5' et 3'P par hybridation avec l'oligonucléotide de séquence partiellement complémentaire suivante: 5' CCA CGC CG 3'

25

Les conditions de ligation utilisées sont les suivantes:  
pour 100 µg d'oligonucléotide GT : 100µg oligonucléotide complémentaire

0,25 M MES, pH 7,4

30

20 mM MgCl<sub>2</sub>

0,2 M CnBr

Volume réactionnel: 500 µl

Incubation à 4°C pendant 30 minutes. La réaction est arrêtée par addition de 1/10 de volume d'acétate de sodium 3M, et  
35 2,5 volumes d'éthanol absolu, les oligonucléotides précipités et purifiés sur gel de polyacrylamide dénaturant.

0

Infection des cellules en présence ou en absence d'oligonucléotides antisens

Les cellules (cellules Vero ATCC -passage 121- cultivées en milieu (Gibco) MEM complémenté de 5 ou 10% de SVF, de L-  
5 glutamine, d'acides aminés non essentiels et de pénicilline) sont repiquées la veille de l'infection à une densité de  $5.10^4$  cellules par puits de 2 cm<sup>2</sup>. 16 à 24 heures après, les cellules sont infectées avec HSV1F à une multiplicité d'infection de 3 pfu/cellule en présence ou en  
10 absence d'oligonucléotides.

Les oligonucléotides sont dilués dans du milieu de culture sans sérum en concentration 2X par rapport à la concentration finale désirée pour être ajoutés sous un volume de 50 µl. Le virus est ajouté également sous un  
15 volume de 50 µl, 5 mn après les oligonucléotides. Les cellules sont donc traitées sous un volume de 100µl (50 µl oligonucléotides + 50 µl virus) pendant une heure à 37°C avec agitation douce toutes les 15 mn. Alternativement, les oligonucléotides peuvent être ajoutés plusieurs heures avant  
20 l'infection.

Après 1 heure d'incubation, le milieu est aspiré et 500 µl de milieu complet sont ajoutés sur les cellules. L'incubation est poursuivie 24 h avant d'être arrêtée par congélation des plaques dans l'azote liquide.

25 Toutes les mesures d'inhibition sont effectuées en duplicats ou triplicats.

Titration du virus

Les virus sont récupérés directement dans le milieu de culture après 3 cycles rapides congélation azote  
30 liquide/décongélation à 37°C. Ils sont ensuite dilués en milieu sans sérum pour effectuer la titration proprement dite.

Les cellules indicatrices sont repiquées la veille en milieu complet à raison de  $10^5$  cellules/puits de 2 cm<sup>2</sup>.  
35

Le lendemain, le milieu est aspiré et on dépose 100 µl des

- 0 différentes dilutions/puits. Après une incubation d'une heure à 37°C avec agitation toutes les 15 mn, le milieu est aspiré et les cellules sont recouvertes avec du milieu complet contenant 1,2% de méthyl cellulose (concentration finale de sérum 2,5%) pendant 3 jours à 37°C.
- 5 Après 3 jours, le milieu est éliminé, les cellules sont fixées avec du PBS-10% formol (solution à 37%) pendant 20 mn puis colorées au cristal violet 2% (dans PBS-20% éthanol) pendant 20 mn. Les plaques sont ensuite rincées et les plages sont comptées par transparence sur le négatoscope.
- 10 Les titration sont effectuées en double pour chaque point. Les calculs d'inhibitions sont effectuées par rapport aux titres viraux observés en l'absence d'oligonucléotide.

## 2-Résultats

- 15 -Analyse des effets d'oligonucléotides circulaires sur la croissance cellulaire

La figure 9 présente les résultats de mesure de croissance cellulaire (cellules Vero) en présence d'oligonucléotides divers, linéaires ou circulaires, en comparaison avec la croissance normale des cellules seules. Dans cette expérience, les oligonucléotides étaient utilisés à une concentration de 20µM.

- 25 Les résultats montrent que les courbes de croissance sont superposées. Les oligonucléotides linéaires ou circulaires ne semblent présenter aucun effet toxiques sur la croissance cellulaire.

- 30 -Analyse des effets d'oligonucléotides circulaires sur la multiplication de HSV-1

Dans cette expérience, on a comparé les effets d'oligonucléotides antisens GT (dont la séquence est donnée ci-dessus) sous forme linéaire, ou sous forme circulaire. Deux conditions différentes d'inhibition ont été comparés.

0 En A, les antisens sont ajoutés au moment de l'infection, alors qu'en B, ils sont introduit dans le milieu 4 heures avant l'infection. Les résultats présentés en figure 10 montrent que des oligonucléotides antisens circulaires inhibent la multiplication virale. L'inhibition est de 30% à 5 2  $\mu\text{M}$ , et atteint 65% à 5 $\mu\text{M}$ . A ces basses concentrations, les oligonucléotides circulaires présentent un effet d'inhibition supérieur à celui de l'oligonucléotide linéaire.

#### 10 EXEMPLE 7

##### Propriétés des oligonucléotides de type "sens"

##### 1-Obtention des oligonucléotides de type sens

15 Les conditions expérimentales permettant la ligation efficace de l'oligonucléotide dont la séquence est donnée dans la figure 5-B sont similaires à celles décrites dans l'exemple 1.

Les produits de ligation sont ensuite analysés, par 20 électrophorèse dénaturante en gel de polyacrylamide de 12%/7M urée.

Pour la préparation des oligonucléotides sens fermés marqués servant aux essais de gel de retard, les conditions sont les suivantes:

25 22n moles d'oligonucléotide sont marqué en 5' avec du gamma-32 ATP (activité spécifique  $2-5 \times 10^8$  cpm/ $\mu\text{g}$ ), 50mM Tris HCl pH7,8, 10mM  $\text{MgCl}_2$ , 20mM DTT, 1mM ATP, 1mM bSA et 400 unités de l'ADN ligase de T4 dans un volume de 10 $\mu\text{l}$ . L'incubation se fait pendant 2h à 16°C. Les produits de ligation sont 30 purifiés par électrophorèse dénaturante en gel de polyacrylamide de 12%/7M urée, les bandes correspondantes à l'oligonucléotide fermé sont détectées par autoradiographie excisées du gel et l'ADN est isolé par les techniques classiques d'extraction de gels de polyacrylamide.

35 Alternativement, les produits de la réaction de la ligation sont utilisés sans purification préalable, après

0 inactivation de l'ADN ligase par chauffage du milieu de ligation pendant 2 minutes à 90°C extraction au phénol/chloroforme/alcool isoamilique, précipitation à l'alcool absolu en présence de 20µg de glycogène comme entraîneur et lavage à l'alcool 80%

5

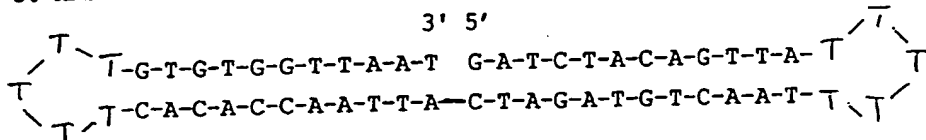
2-Résistance des oligonucléotides de type sens aux nucléases sériques

Les oligonucléotides "sens" présentent une résistance à la  
10 dégradation nucléolytique lorsqu'ils sont incubés en présence de sérum. Les comparaisons effectuées entre la résistance des oligonucléotides circularisés et des oligonucléotides bicaténaires linéaires donnent les mêmes résultats que ceux présentés dans la figure 7-C. Dans tous  
15 les cas, les oligonucléotides fermés présentent une résistance supérieure à celle des oligonucléotides non fermés. Le temps de demie-vie des oligonucléotides sens fermés est supérieur au moins d'un facteur 10 à celui des oligonucléotides linéaires bicaténaires non fermés,  
20 présentant des extrémités 3' et 5' libres.

3-Mise en évidence de la fixation du facteur de transcription HNF-1 par un oligonucléotide circulaire de type sens comportant la séquence de reconnaissance sous  
25 forme auto-appariée.

Les expériences suivantes ont été réalisées avec les oligonucléotides dont la séquence est rappelée ci-dessous:

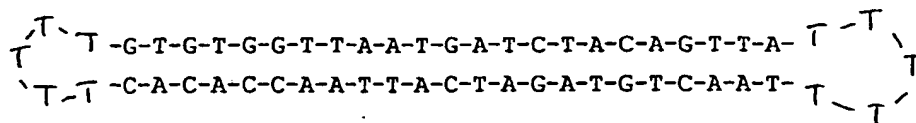
30 HNF-1 NON LIGUE:



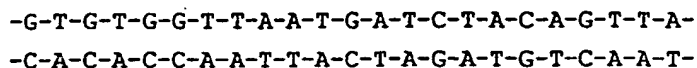
35



## 0 HNF1-CIRCULAIRE (HNF1-C):



## 5 HNF1-LINEAIRE BICATENAIRE (HNF1-LB):



10 Nous avons comparé l'efficacité de fixation du facteur de transcription HNF1 (obtenu à partir d'extraits nucléaires de foie) sur des oligonucléotides linéaire double brin, des oligonucléotides en épingle à cheveux, des oligonucléotides circulaires, non ligués ou refermés par l'action de la  
 15 ligase de T4 (la séquence de l'oligonucléotide circulaire utilisé est donné en figure 5-B).

3 f moles de chaque oligonucléotide (activité spécifique 7000 cpm/f moles pour l'oligonucléotide linéaire double brin et 3500 cpm/f moles pour les autres oligonucléotides) sont  
 20 incubés dans un volume final de 14µl avec 1µg d'un extrait protéique nucléaire de foie dans 10mM Hepes pH 7,9, 50mM KCl, 10% glycerol, 0,1mM EDTA, 0,5mM DTT, 0,5 mM PMSF, 6 mM MgCl<sub>2</sub>, 6mM spermine en présence de 1,5 µg de poly dI.dC-poly dI.dC et 250 ng d'ADN de sperme de saumon soniqué comme  
 25 compétiteurs non spécifique. Après 10 mn à 4°C, les mélanges de réaction, ainsi que des contrôles dans lesquels on a omis l'addition des protéines, sont déposés sur un gel natif de polyacrylamide 6%/0,25 x TBE. A la fin de la migration, le gel est fixé dans une solution 10% acide acétique, 10%  
 30 méthanol, transféré sur du papier 3MM, séché et autoradiographié. Le résultat de cette expérience est présenté dans la figure 11.

On observe que:

1. L'affinité de fixation du facteur de transcription,  
 35 pour l'oligonucléotide circulaire fermé est similaire à la fixation observée sur les oligonucléotides linéaire double

0 brin ( ou en épingle à cheveux, résultats non présentés ici). De telles structures peuvent donc être utilisées comme agent pour fixer des facteurs de transcription, des trans-activateurs, ou tous autres protéines se fixant sur une séquence d'ADN spécifique.

5 2. La fixation du facteur de transcription HNF1 sur l'oligonucléotide circulaire non ligué est de 5 à 10 fois inférieure à celle observée sur l'oligonucléotide circularisé par action de la ligase. Le site de ligation dans l'oligonucléotide sens est centré dans la portion  
10 bicaténaire et correspond à l'axe du pseudopalindrome qui constitue le site de fixation du dimer de HNF1. La présence d'un "nick" déstabilise donc la liaison ADN/protéine. Ce résultat confirme la nature fermée de l'oligonucléotide circulaire "sens" traité par la ligase de T4.

15

20

25

30

35

0

## REFERENCES BIBLIOGRAPHIQUES CITEES DANS LE TEXTE

- Andrus, A.; Geiser, T.; Zon, G. (1989), *Nucleosides Nucleotides*, 8, 5-6, 967-8
- 5 Anfossi, Giovanni; Gewirtz, Alan M.; Calabretta, Bruno, (1989), *Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A.*, 86, 3379-83
- Barbato, S., De Napoli, L., Mayol, L., Piccialli, G. and Santacroce, C. (1989). *Tetrahedron*, 54, 4523-4536
- Bazile D; Gautier C; Rayner B; Imbach JL; Paoletti C;
- 10 Paoletti J, (1989), *Nucleic Acids Res*, 17, 7749-59
- Bertrand JR; Imbach JL; Paoletti C; Malvy C, (1989), *Biochem Biophys Res Commun*, 164, 311-8
- Cameron FH; Jennings PA, (1989), *Proc Natl Acad Sci U S A*, 86, 9139-43
- 15 Caruthers, M.H. (1985) *Sciences*, 230, 281
- Cazenave C; Chevrier M; Nguyen TT; Helene C, (1987), *Nucleic Acids Res*, 15, 10507-10521
- Cazenave, C.; Stein, C. A.; Loreau, N.; Thuong, N. T.; Neckers, L. M.; Subasinghe, C.; Helene, C.; Cohen, J. S.;
- 20 Toulme, J. J., (1989), *Nucleic Acids Res.*, 17, 4255-73
- Chang, E. H.; Yu, Z.; Shinozuka, K.; Zon, G.; Wilson, W. D.; Strekowska, A., (1989), *Anti-Cancer Drug Des.*, 4, 221-32
- Cope, F. O.; Wille, J. J., (1989), *Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A.*, 86, 5590-4
- 25 Cotten M. and Birnstiel ML. (1989). *EMBO J.* 8, 3861-3866.
- Cotten M; Schaffner G; Birnstiel ML, (1989), *Mol Cell Biol*, 9, 4479-87
- Degols, G.; Leonetti, J.P.; Gagnor, C.; Lemaitre, M.; Lebleu, B., (1989), *Nucleic Acids Res.*, 17, 9341-50
- 30 DDe Vroom E., Broxterman, H.J., Sliedregt, L.A.J., Van der Marel, G.A., Van Boom, J.H., (1988), *Nucl. Ac. Res.*, 16, 4607-4620
- Dervan PB, (1986), *Science*, 232, 464-71
- Durand M; Maurizot JC; Asseline U; Barbier C; Thuong NT;
- 35 Helene C, (1989), *Nucleic Acids Res*, 17, 1823-1837
- Fedor MJ; Uhlenbeck OC, (1990), *Proc Natl Acad Sci*, 87,

- 0 1668-72  
Francois JC; Saison-Behmoaras T; Barbier C; Chassignol M;  
Thuong NT; Helene C, (1989), *Proc Natl Acad Sci*, 86, 9702-  
9706  
Francois JC; Saison-Behmoaras T; Chassignol M; Thuong NT;  
5 Helene C, (1989), *J Biol Chem*, 264 5891-5898  
Francois JC; Saison-Behmoaras T; Helene C, (1988), *Nucleic  
Acids Res*, 16, 11431-11440  
Francois JC; Saison-Behmoaras T; Thuong NT; Helene C,  
(1989), *Biochemistry*, 28, 9617-9619
- 10 Froehler, B.C., Ng, P. and Matteucci, M.D. (1986) *Nucl. Acid  
Res.*, 14, 5399  
Gagnor, C., Bertrand, J.R., Thenet, S., Lemaitre, M.,  
Morvan, F., Rayner, B., Malvy, C., Lebleu, B., Imbach, J.L.,  
Paoletti, C., (1987), *Nucleic Acids Res.*, 15, 10419-36
- 15 Gao, W., Stein, C.A., Cohen, J.S., Dutchmann, G. and Cheng,  
Y.C., (1988). *J. Biol. Chem.*, 264, 11521-11532  
Goodchild, John; Agrawal, Sudhir; Civeira, Maria P.; Sarin,  
Prem S.; Sun, Daisy; Zamecnik, Paul C., (1988), *Proc. Natl.  
Acad. Sci. U.S.A.*, 85, 5507-11
- 20 Haseloff J; Gerlach WL, (1988), *Nature*, 334, 585-91  
Helene C, (1989) *Br J Cancer*, 60, 157-60  
Helene C; Thuong NT, (1988), *Biochem Pharmacol*, 37, 1797-1798  
Jeffries AC; Symons RH, (1989), *Nucleic Acids Res*, 17, 1371-  
7
- 25 Jessus C; Chevrier M; Ozon R; Helene C; Cazenave C, (1989),  
*Gene*, 72, 311-312  
Kabanov, A. V.; Vinogradov, S. V.; Ovcharenko, A. V.;  
Krivonos, A. V.; Melik-Nubarov, N. S.; Kiselev, V. I.;  
Severin, E. S., (1990), *FEBS Lett.*, 259, 327-30
- 30 Le Doan T; Chavany C; Helene C, (1989) *Bull Cancer*, 76, 849-  
52  
Leonetti, J.P, Degols, G., Milhaud, P., Gagnor, C.,  
Lemaitre, M., Lebleu, B., (1989), *Nucleosides Nucleotides*,  
8, 5-6, 825-8
- 35 Maher, Louis J, III; Dolnick, Bruce J., (1988), *Nucleic  
Acids Res.*, 16, 3341-58

- 0 Marcus-Sekura, Carol J.; Woerner, Amy M.; Shinozuka, Kazuo;  
Zon, Gerald; Quinnan, Gerald V., Jr., (1987), *Nucleic Acids  
Res.*, **15**, 5749-63  
Matsukura, Makoto; Zon, Gerald; Shinozuka, Kazuo; Robert-  
Guroff, Marjorie; Shimada, Takashi; Stein, C. A.; Mitsuya,  
5 Hiroaki; Mitsuya, Hiroaki; Wong-Staal, Flossie; et al.,  
(1989), *Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A.*, **86**, 4244-8  
Miroshnichenko, O. I.; Ponomareva, T. I.; Tikhonenko, T. I.,  
(1989), *Gene*, **84**, 83-9  
Perbost M; Lucas M; Chavis C; Pompon A; Baumgartner H;  
10 Rayner B; Griengl H; Imbach JL, (1989), *Biochem Biophys Res  
Commun*, **165**, 742-7  
Perroualt, L., Asseline, U., Rivalle, C., Thuong, N.Y.,  
Bisagni, E., Giovanelli, C., LeDoan, T. and Helene, C.  
(1990). *Nature*, **344**, 358-361  
15 Sampson, J. R.; Sullivan, F. X.; Behlen, L. S.; DiRenzo, A.  
B.; Uhlenbeck, O. C., (1987), *Cold Spring Harbor Symp.  
Quant. Biol.*, **52**, 267-75  
Sankar, Sabita; Cheah, Keat Chye; Porter, Alan G., (1989),  
*Eur. J. Biochem.* **184**, 39-45  
20 Sarver, N., Cantin, E.M., Pairoj, S., C., Zaia, J.A., Ladne,  
P.A., Stephens, D. A. and Rossi, J.J. (1990). *Science*, **247**,  
1222-1225.  
Sheldon CC; Symons RH, (1989), *Nucleic Acids Res*, **17**, 5679-85  
Sheldon CC; Symons RH, (1989), *Nucleic Acids Res*, **17**, 5665-  
25 77  
Shuttleworth, John; Matthews, Glenn; Dale, Les; Baker,  
Chris; Colman, Alan, (1988), *Gene*, **72**, 1-2, 267-75  
Stevenson, Mario; Iversen, Patrick L., (1989), *J. Gen.  
Virol.*, **70**, 2673-82  
30 Sun JS; Asseline U; Rouzaud D; Montenay-Garestier T; Nguyen  
TT; Helene C, (1987), *Nucleic Acids Res*, **15**, 6149-58  
Sun JS; Francois JC; Lavery R; Saison-Behmoaras T; Montenay-  
Garestier T; Thuong NT; Helene C, (1988), *Biochemistry*, **27**,  
6039-6045  
35 Sun JS; Francois JC; Montenay-Garestier T; Saison-Behmoaras  
T; Roig V; Thuong NT; Helene C, (1989) *Proc Natl Acad Sci*

- 0 86, 9198-9202  
Symons RH, (1989), *Trends Biochem Sci*, 14, 445-50  
Symons RH; Hutchins CJ; Forster AC; Rathjen PD; Keese P;  
Visvader JE, (1987), *J Cell Sci Suppl*, 7, 303-18  
Tortora, Giampaolo; Clair, Timothy; Cho-Chung, Yoon Sang,  
5 (1990), *Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A.*, 87, 705-8  
Toulme JJ; Krisch HM; Loreau N; Thuong NT; Helene C, (1986),  
*Proc Natl Acad Sci*, 83, 1227-31  
Trung Le Doan; Perrouault L; Chassignol M; Nguyen TT; Helene  
C, (1987), *Nucleic Acids Res*, 15, 8643-8659  
10 Uhlenbeck, Olke C., (1987), *Nature*, 328, 596-600  
Uhlenbeck, Olke C.; Dahm, Sue Ann C.; Ruffner, Duane E.;  
Fedor, Martha J., (1989), *Nucleic Acids Symp. Ser.*, 21, 95-6  
Vasseur, M. (1990), *Biofutur*, avril 1990, 18-28.  
Verspieren P; Cornelissen AW; Thuong NT; Helene C; Toulme  
15 JJ, (1987), *Gene*, 61, 307-315  
Vlassov, V.V., Zarytova, V.F., Kutiavin, I.V., Mamaev, S.V.  
and Podyminogin, M.A. (1986) *Nucl. Acids Res.*, 14, 4065-  
4076.  
Wang AH; Cottens S; Dervan PB; Yesinowski JP; van der Marel  
20 GA; van Boom JH, (1989), *J Biomol Struct Dyn*, 7, 101-17  
Westermann, P.; Gross, B.; Hoinkis, G., (1989), *Biomed.  
Biochim. Acta*, 48, 85-93  
Zerial A; Thuong NT; Helene C, (1987), *Nucleic Acids Res*,  
15, 9909-9919  
25 Zheng, H., Sahai, Beni M., Kilgannon, P., Fotedar, A.,  
Green, D. R., (1989), *Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A.*, 86,  
3758-62

0

## REVENDEICATIONS

1. Agent antisens ou sens du type oligonucléotide, caractérisé en ce qu'il est constitué d'une ou plusieurs  
5 séquence(s) d'oligonucléotides monocaténares, dont les extrémités sont reliées entre elles par des liens covalents pour former au moins partiellement une structure monocaténaire fermée.
- 10 2. Agent antisens ou sens selon la revendication 1, caractérisé en ce qu'il est constitué d'une séquence oligonucléotidique monocaténaire dont les extrémités 5' et 3' sont reliées par une structure covalent non nucléotidique.
- 15 3. Agent antisens ou sens selon la revendication 1, caractérisé en ce qu'il est constitué d'une séquence oligonucléotidique monocaténaire dont les extrémités 5' et 3' sont reliées entre elles par une liaison nucléotidique.
- 20 4. Agent antisens ou sens selon l'une des revendications 1 à 3, caractérisé en ce que les séquences d'oligonucléotides ne comportent aucune extrémité 5' ou 3' libre.
- 25 5. Agent antisens ou sens selon l'une des revendications 1 à 4, caractérisé en ce que la ou les séquence(s) nucléotidique(s) du composé ne comportent pas de fragments susceptibles de s'auto-apparier.
- 30 6. Agent antisens ou sens selon l'une des revendications 1 à 5, caractérisé en ce que les séquences nucléotidiques du composé comportent des fragments susceptibles de s'apparier pour former des auto-appariements bicaténaires.
- 35 7. Agent antisens ou sens selon la revendication 6, caractérisé en ce que les fragments susceptibles de

0 s'apparier peuvent être séparés par des fragments ne pouvant pas s'apparier.

8. Agent antisens ou sens selon l'une des revendications 1 à 7, caractérisé en ce que la ou les séquence(s) 5 d'oligonucléotides peuvent comporter des nucléotides en série désoxyribo- ou en série ribo- naturelle ou non naturelle.

9. Agent antisens ou sens selon l'une des revendications 1 à 10 8, caractérisé en ce que un composant ayant une activité biologique est greffé sur la structure monocaténaire fermée.

10. Agent antisens ou sens selon la revendication 9, caractérisé en ce que ledit composant est greffé sur la 15 structure covalente non nucléotidique.

11. Agent antisens ou sens selon l'une des revendications 1 à 10, caractérisé en ce que la structure covalente non nucléotidique est une structure peptidique.

20

12. Agent antisens ou sens selon l'une des revendications 1 à 11, caractérisé en ce que la structure covalente non nucléotidique est une structure au moins partiellement lipidique.

25

13. Agent antisens ou sens selon l'une des revendications 1 à 12, caractérisé en ce que la séquence d'oligonucléotides est uniquement en série désoxyribo- ou en série ribo-naturelle ou non naturelle.

30

14. Agent antisens ou sens selon l'une des revendications 1 à 13, caractérisé en ce que au moins une séquence d'oligonucléotides est la séquence complémentaire d'une région d'un ARN messenger ou d'un fragment d'ADN naturel.

35

15. Agent antisens ou sens selon l'une des revendications 1



0 à 14 caractérisé en ce que au moins une séquence d'oligonucléotides correspond à une séquence reconnue spécifiquement par une protéine naturelle.

16. Agent antisens ou sens selon l'une des revendications 1 à 15, caractérisé en ce que il comporte une partie polyribonucléotidique capable d'exercer une activité de clivage en trans sur un ARN.

17. Agent antisens ou sens selon l'une des revendications 1 à 16, caractérisé en ce que les séquences nucléotidiques lui permettent d'adapter une structure bicaténaire, faisant intervenir des appariements anti-parallèles et/ou parallèles dans une conformation de type Moebius.

18. Agent antisens ou sens selon l'une des revendications 1 à 17, caractérisé en ce que les séquences d'oligonucléotides comportent entre 10 et 200 nucléotides.

19. Agent antisens ou sens selon la revendication 18, caractérisé en ce que les séquences d'oligonucléotides comportent entre 10 et 100 nucléotides.

20. Procédé de préparation d'un agent, selon l'une des revendications 1 à 18, caractérisé en ce que l'on a effectué la synthèse chimique partielle ou totale de la chaîne monocaténaire du composé avant de le cycliser.

21. Procédé selon la revendication 20, caractérisé en ce que la séquence d'oligonucléotides est obtenue par une méthode biochimique.

22. Application d'un agent selon l'une des revendications 1 à 19, à titre thérapeutique.

23. Application d'un agent selon la revendication 22, caractérisée en ce que l'agent est utilisé à titre d'agent

0 anti-viral ou anti-cancéreux.

24. Application selon la revendication 23 caractérisée en ce que l'agent est utilisé comme inducteur d'immuno-modulateurs naturels.

5

25. Application selon la revendication 24 caractérisée en ce que l'agent est utilisé comme inducteur d'interférons.

26. Application d'un agent selon l'une des revendications 1  
10 à 19 à titre d'agent de diagnostic in vitro ou in vivo.

27. Application d'un agent selon la revendication 26, caractérisée en ce que l'agent est marqué.

15 28. Application d'un agent selon l'une des revendications 1 à 19, en cosmétique.

29. Composition pharmaceutique caractérisée en ce que elle comporte à titre de principe actif au moins un agent selon  
20 l'une des revendications 1 à 19.

30. Composition selon la revendication 29, caractérisée en ce que la composition pharmaceutique est sous une forme administrable par voie topique externe.

25

31. Composition selon la revendication 30, caractérisée en ce que l'agent est utilisé comme un agent anti-viral.

30

35

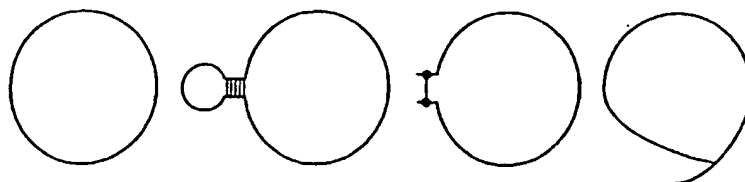


Figure 1A



Figure 1B

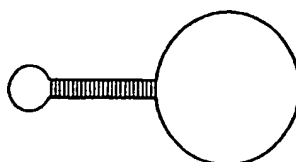
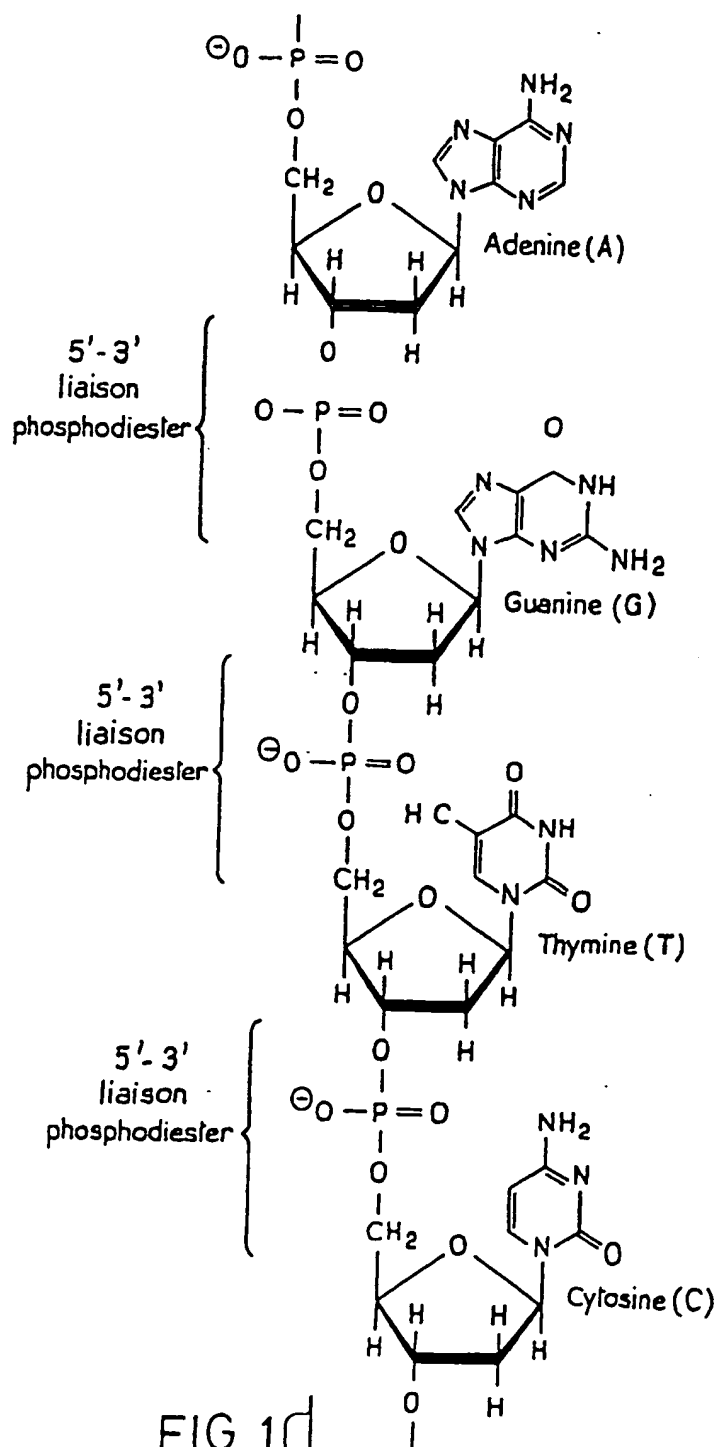


Figure 1C



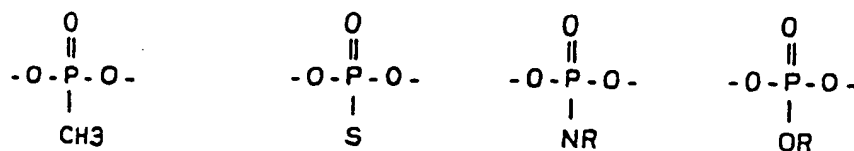
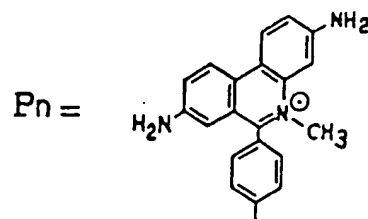
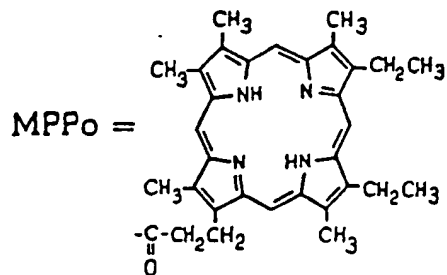
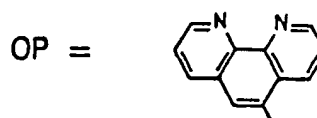
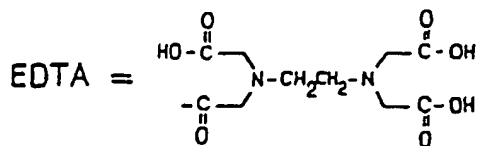
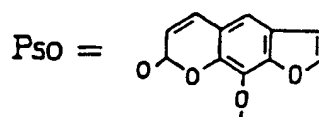
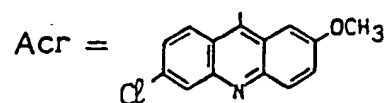
FIG. 2AFIG. 2B

FIGURE 3.

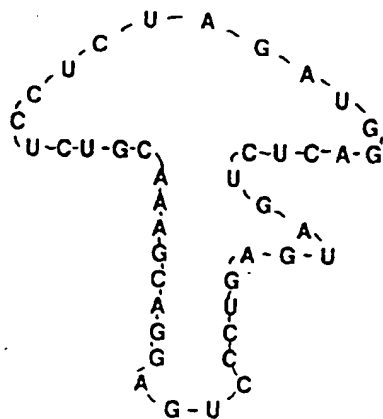


FIGURE 4.A.

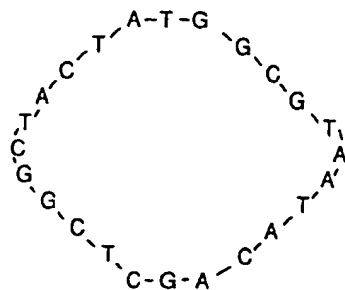


FIGURE 4.B.

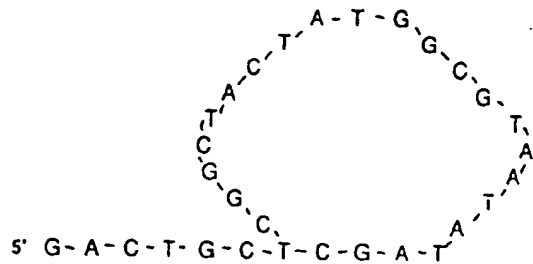


FIGURE 4.C.

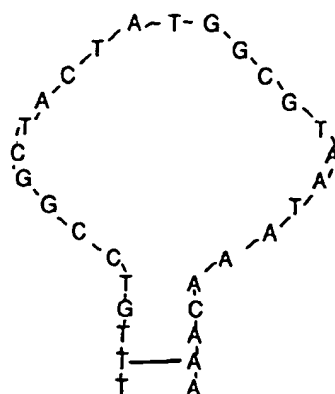


FIGURE 4.D.

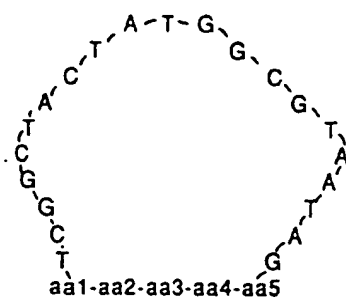


FIGURE 4.E.

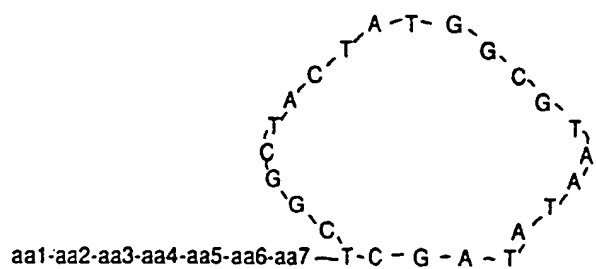


FIGURE 5-A.

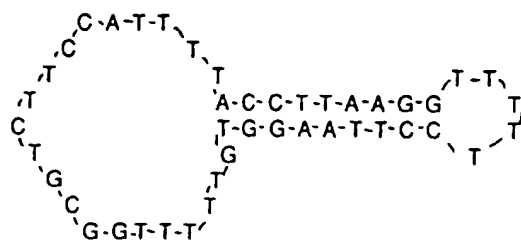


FIGURE 5-B.

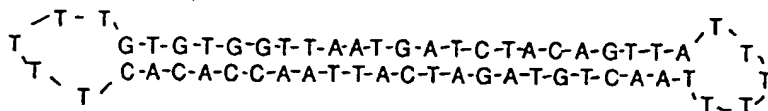


FIGURE 6-A.

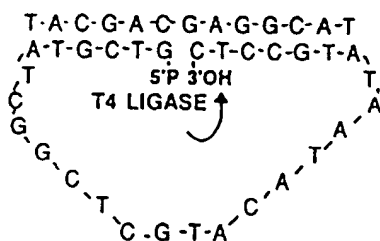


FIGURE 6-B.

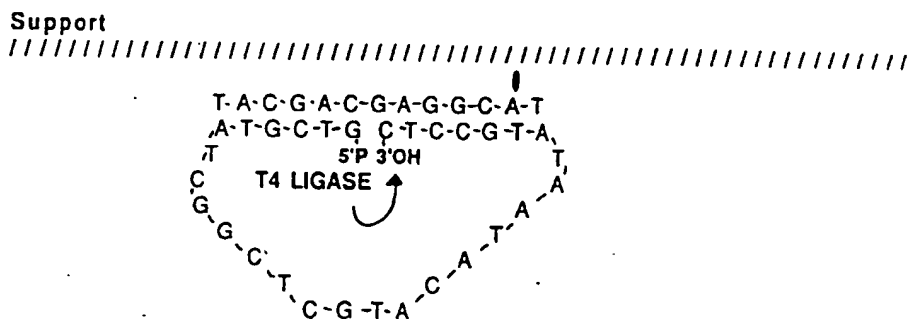


FIGURE 6-C.

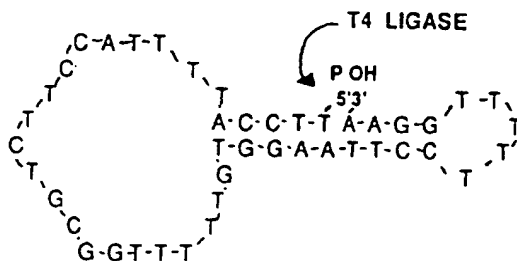
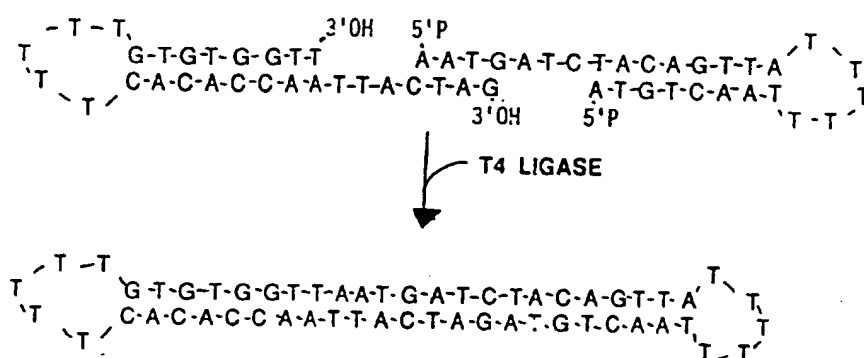




FIGURE 6-D.



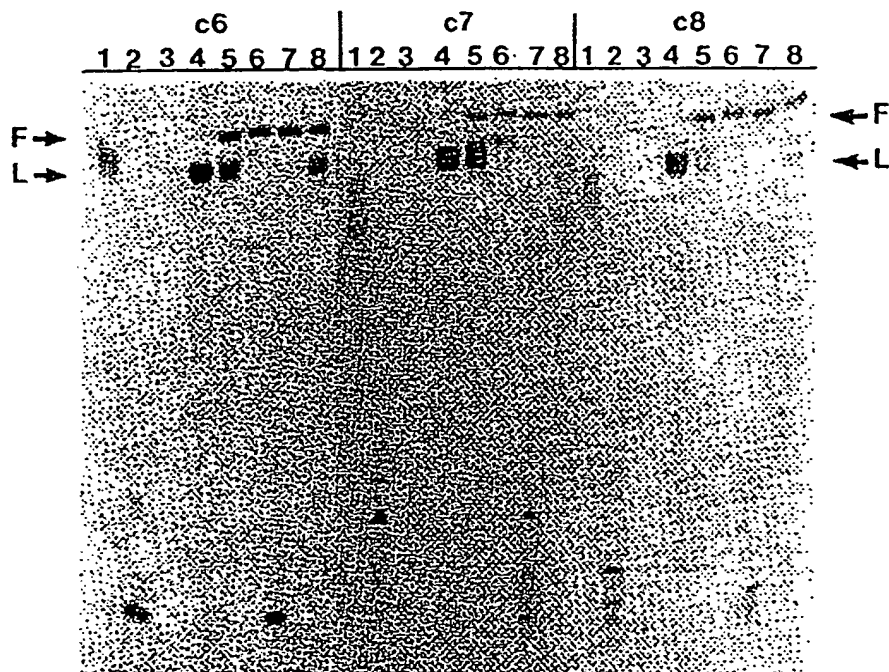


FIGURE 7-A

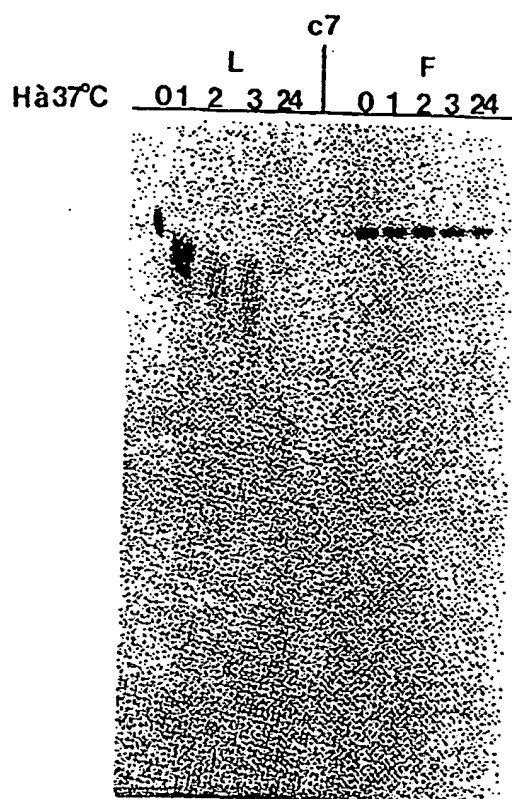


FIGURE 7-B

FEUILLE DE REMPLACEMENT

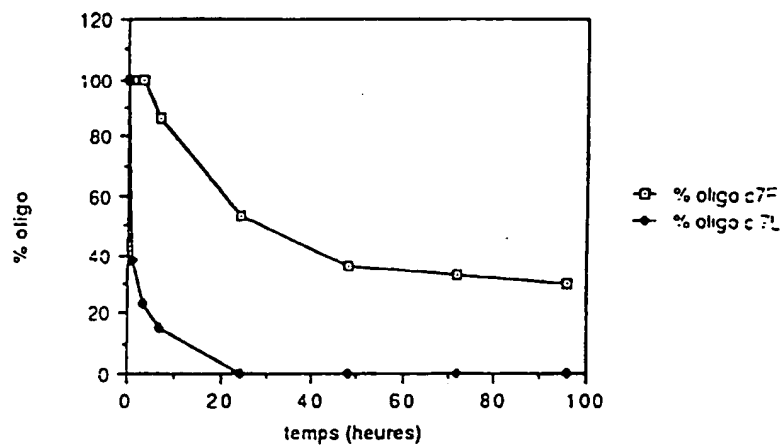


FIGURE 7-C

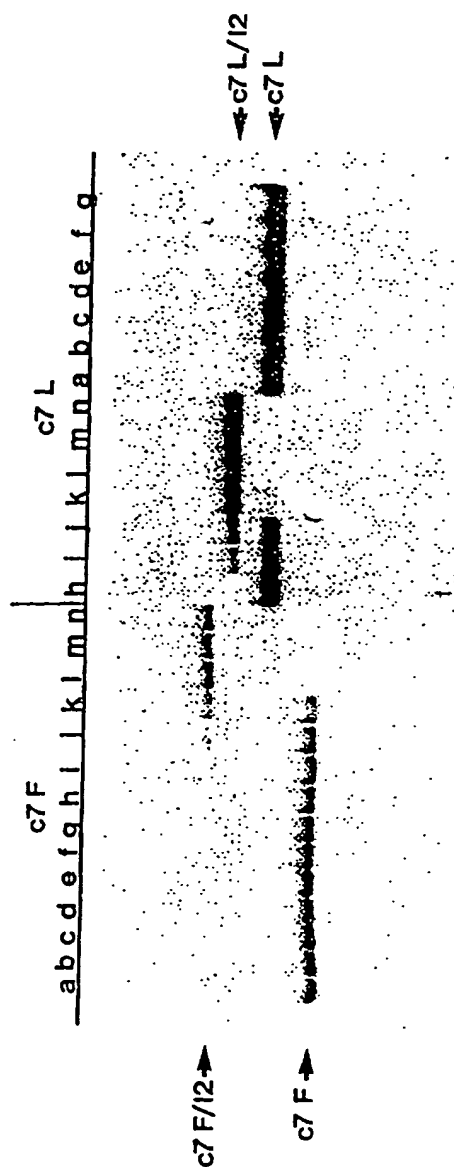


FIGURE 8-A

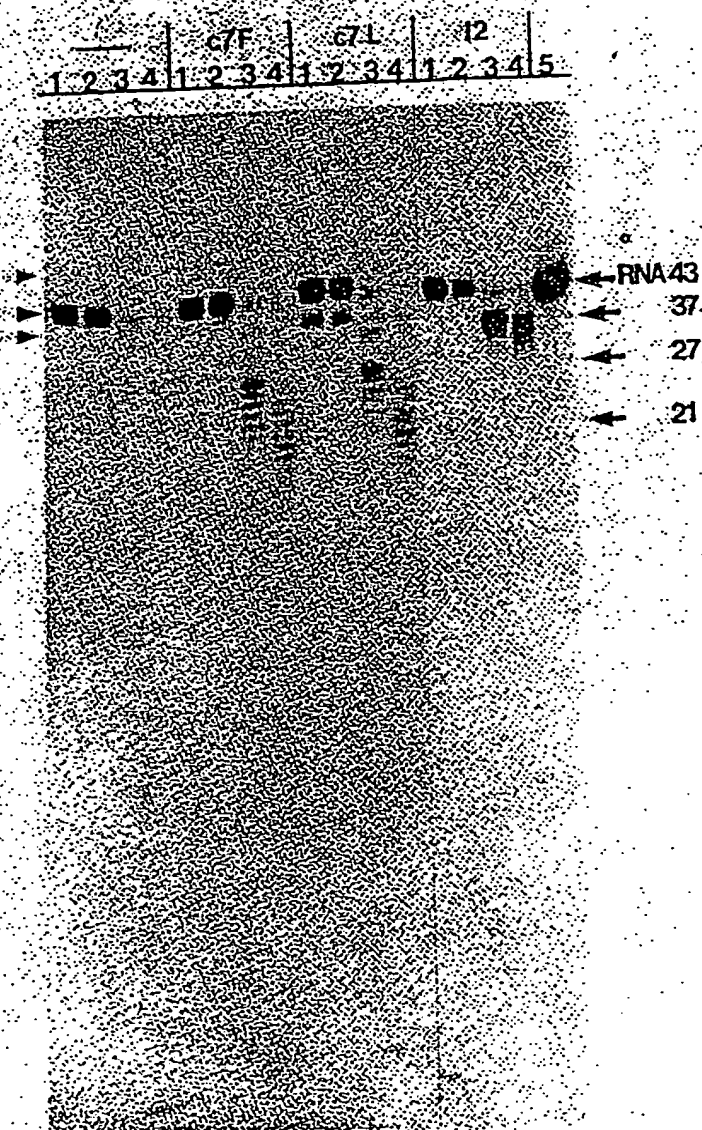


FIGURE 8-B

FEUILLE DE REMPLACEMENT

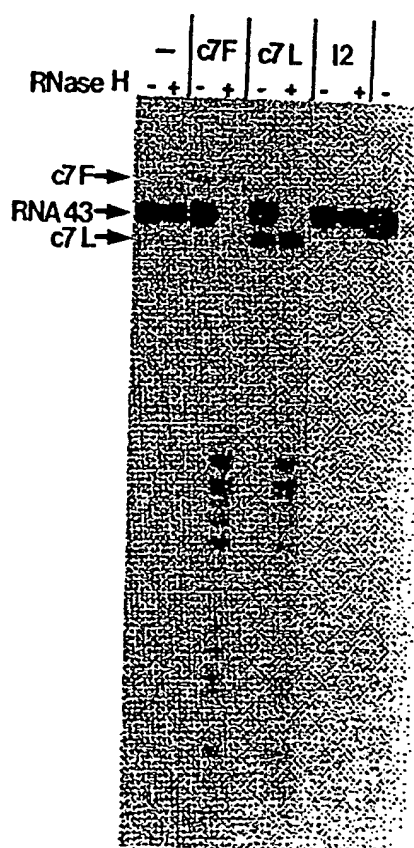


FIGURE 8-C

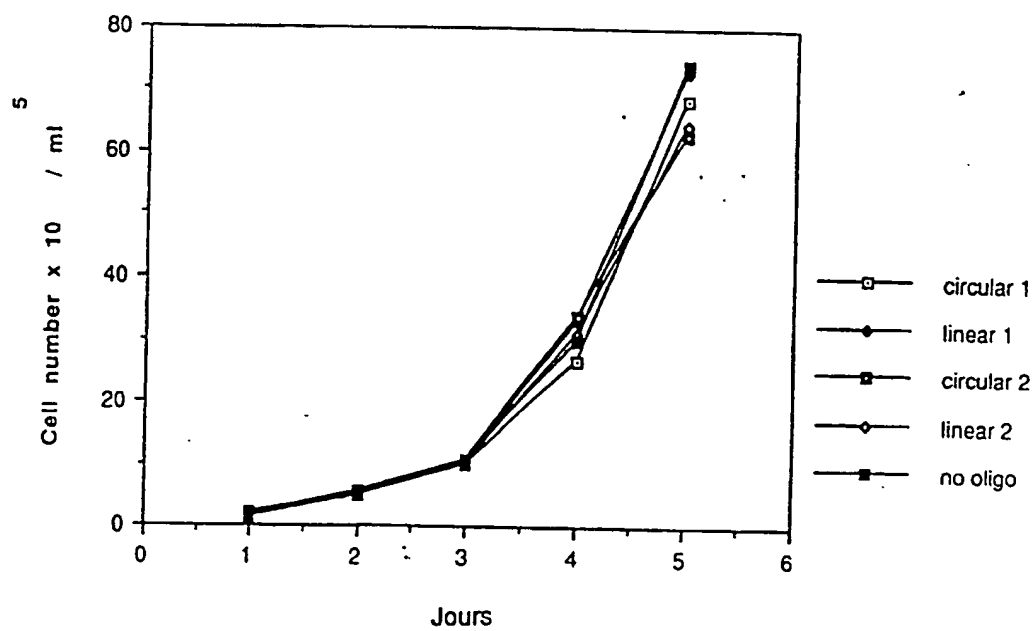


Figure 9



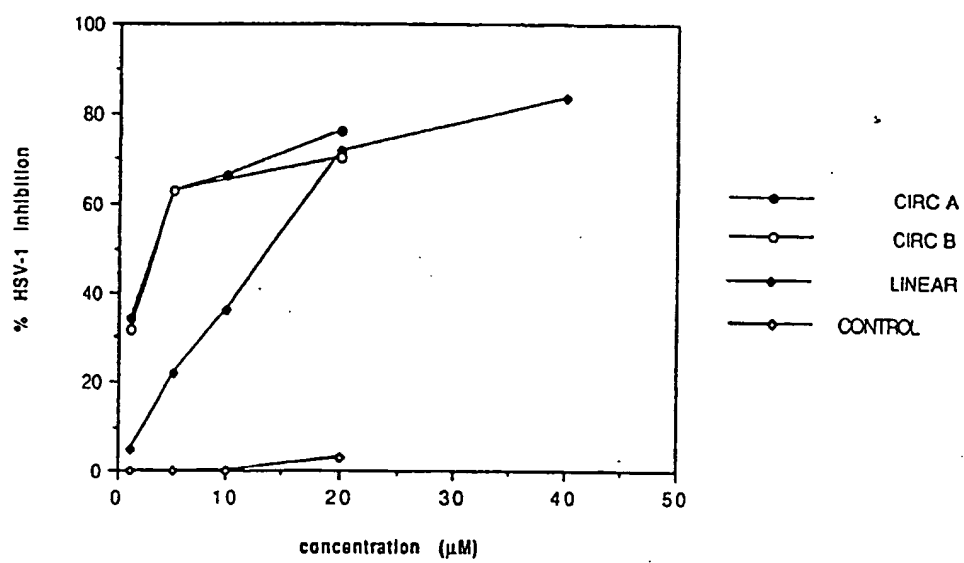


Figure 10

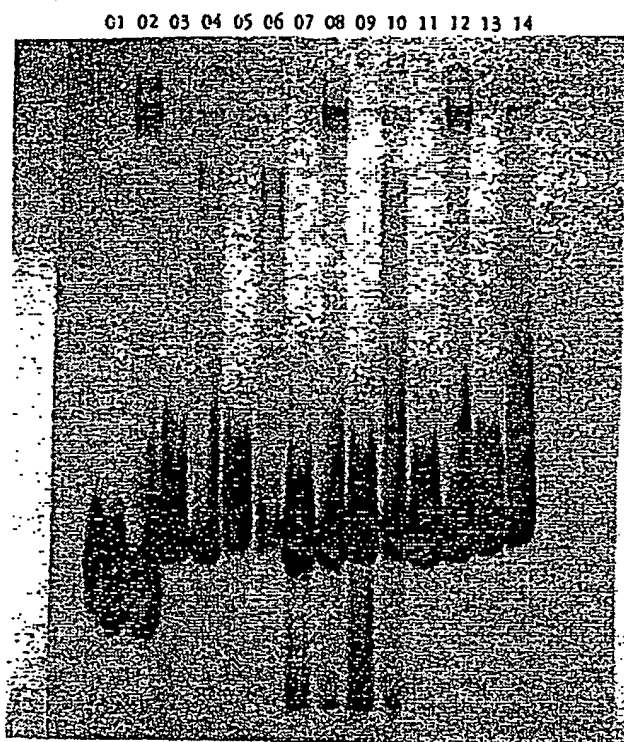


Figure 11

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/FR 92/00370

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER		
Int. Cl. <sup>5</sup> C 12 N 15/11 A 61 K 31/70		
According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC		
B. FIELDS SEARCHED		
Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)		
Int. Cl. <sup>5</sup> C 12 N 15/00 A 61 K 31/00		
Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched		
Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used)		
C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	Biochemistry, vol. 28, No. 1, 10 January 1989, (Easton, PA, US), D.A. ERIE et al.: "Melting behaviour of a covalently closed, single stranded, circular DNA", pages 268-273, see the whole document	1,3-5,8, 13,15
A	Nucleic Acids Research, vol. 11, No. 18, 24 September 1983, (Arlington, Virginia, US), T. YAGURA et al.: "Mechanism of stimulation by a specific protein factor of de novo DNA synthesis by mouse DNA replicase with fd phage single stranded circular DNA", pages 6369-6380, see the whole document	1,3-5,8,13, 15, 22,26,29
-/-		
<input type="checkbox"/> Further documents are listed in the continuation of Box C. <input type="checkbox"/> See patent family annex.		
* Special categories of cited documents: "A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance "E" earlier document but published on or after the international filing date "L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified) "O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means "P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed "T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention "X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone "Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art "&" document member of the same patent family		
Date of the actual completion of the international search 22 June 1992 (22.06.92)		Date of mailing of the international search report 30 July 1992 (30.07.92)
Name and mailing address of the ISA/ European Patent Office Facsimile No.		Authorized officer  Telephone No.

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/FR 92/00370

C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	Biochemical and Biophysical Research Communications, vol. 174, No. 3, 14 February 1991, (Duluth, Minnesota, US), N.N.L. SHEN et al.: "Introduction of single-stranded ADH genes into Drosophila results in tissue-specific expression", pages 1300-1305, see the whole document	1,3,4,8, 13,15
A	Chemical Abstracts, vol. 101, No. 17, 22 October 1984, (Columbus, Ohio, US), Y. OKADA: "Viroid, a replicating single-stranded circular RNA", page 149, column 1, abstract No. 144891t, & GENDAI KAGAKU 1984, 160, 12-17, see abstract	1,3,4,8, 13,15
A	Nucleic Acids Research, vol. 17, No. 20, 25 October 1989, (Arlington, Virginia, US), D. MATTANOVICH et al.: "Stopping the DNA polymerase activity at a specific site with a dideoxyligonucleotide: selective labelling of single stranded circular DNA", page 8483, see the whole document	1,3,4,8,9, 13,15,22,26, 29
A	DE, A, 3928900 (EUROPÄISCHES LABORATORIUM FÜR MOLEKULAR BIOLOGIE) 7 March 1991, see the whole document	9,22
A	EP, A, 0321201 (COMMONWEALTH SCIENTIFIC AND INDUSTRIAL RESEARCH ORGANISATION) 21 June 1989, see the whole document	16,22

# INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/FR 92/00370

## Box I Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of Item 1 of first sheet)

This international search report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:

1. ☒ Claims Nos.:  
because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:  
**Although claims 22-27 relate to a method of treatment of the human/animal body, and diagnostic methods applied thereto, the search has been carried out and based on the alleged effects of the product.**
2. ☐ Claims Nos.:  
because they relate to parts of the international application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful international search can be carried out, specifically:
3. ☐ Claims Nos.:  
because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).

## Box II Observations where unity of invention is lacking (Continuation of Item 2 of first sheet)

This International Searching Authority found multiple inventions in this international application, as follows:

1. ☐ As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers all searchable claims.
2. ☐ As all searchable claims could be searched without effort justifying an additional fee, this Authority did not invite payment of any additional fee.
3. ☐ As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.:
4. ☐ No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this international search report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:

Remark on Protest

- ☐ The additional search fees were accompanied by the applicant's protest.  
☐ No protest accompanied the payment of additional search fees.

**ANNEX TO THE INTERNATIONAL SEARCH REPORT  
ON INTERNATIONAL PATENT APPLICATION NO.**

FR 9200370

SA 59472

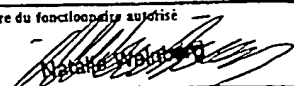
*This annex lists the patent family members relating to the patent documents cited in the above-mentioned international search report. The members are as contained in the European Patent Office EDP file on 15/07/92. The European Patent Office is in no way liable for these particulars which are merely given for the purpose of information.*

Patent document cited in search report	Publication date	Patent family member(s)	Publication date
DE-A- 3928900	07-03-91	None	
EP-A- 0321201	21-06-89	AU-A- 2800789	19-07-89
		WO-A- 8905852	29-06-89

# RAPPORT DE RECHERCHE INTERNATIONALE

Demande internationale No

PCT/FR 92/00370

<b>I. CLASSEMENT DE L'INVENTION</b> (si plusieurs symboles de classification sont applicables, les indiquer tous) <sup>7</sup>		
Selon la classification internationale des brevets (CIB) ou à la fois selon la classification nationale et la CIB Int.C1.5                      C 12 N 15/11                      A 61 K 31/70		
<b>II. DOMAINES SUR LESQUELS LA RECHERCHE A PORTE</b>		
Documentation minimale consultée <sup>8</sup>		
Système de classification	Symboles de classification	
Int.C1.5	C 12 N 15/00                      A 61 K 31/00	
Documentation consultée autre que la documentation minimale dans la mesure où de tels documents font partie des domaines sur lesquels la recherche a porté		
<b>III. DOCUMENTS CONSIDERES COMME PERTINENTS</b> <sup>10</sup>		
Catégorie *	Identification des documents cités, avec indication, si nécessaire, <sup>12</sup> des passages pertinents <sup>13</sup>	No. des revendications visées <sup>14</sup>
A	Biochemistry, vol. 28, no. 1, 10 janvier 1989, (Easton, PA, US), D.A. ERIE et al.: "Melting behaviour of a covalently closed, single stranded, circular DNA", pages 268-273, voir le document en entier ---	1,3-5,8 ,13,15
A	Nucleic Acids Research, vol. 11, no. 18, 24 septembre 1983, (Arlington, Virginia, US), T. YAGURA et al.: "Mechanism of stimulation by a specific protein factor of de novo DNA synthesis by mouse DNA replicase with fd phage single stranded circular DNA", pages 6369-6380, voir le document en entier ---	1,3-5,8 ,13,15, 22,26, 29
-/-		
<div style="display: flex; justify-content: space-between;"> <div style="width: 45%;"> <p><sup>11</sup> Catégories spéciales de documents cités:</p> <p>"A" document définissant l'état général de la technique, non considéré comme particulièrement pertinent</p> <p>"E" document antérieur, mais publié à la date de dépôt international ou après cette date</p> <p>"L" document pouvant jeter un doute sur une revendication de priorité ou cité pour déterminer la date de publication d'une autre citation ou pour une raison spéciale (telles qu'indiquées)</p> <p>"O" document se référant à une divulgation orale, à un usage, à une exposition ou tous autres moyens</p> <p>"P" document publié avant la date de dépôt international, mais postérieurement à la date de priorité revendiquée</p> </div> <div style="width: 45%;"> <p>"T" document ultérieur publié postérieurement à la date de dépôt international ou à la date de priorité et n'appartenant pas à l'état de la technique pertinent, mais cité pour comprendre le principe ou la théorie constituant la base de l'invention</p> <p>"X" document particulièrement pertinent; l'invention revendiquée ne peut être considérée comme nouvelle ou comme impliquant une activité inventive</p> <p>"Y" document particulièrement pertinent; l'invention revendiquée ne peut être considérée comme impliquant une activité inventive lorsque le document est associé à un ou plusieurs autres documents de même nature, cette combinaison étant évidente pour une personne du métier.</p> <p>"A" document qui fait partie de la même famille de brevets</p> </div> </div>		
<b>IV. CERTIFICATION</b>		
Date à laquelle la recherche internationale a été effectivement achevée	Date d'expédition du présent rapport de recherche internationale	
22-06-1992	30.07.92	
Administration chargée de la recherche internationale	Signature du fonctionnaire autorisé	
OFFICE EUROPEEN DES BREVETS		

III. DOCUMENTS CONSIDERES COMME PERTINENTS <sup>16</sup>			(SUITE DES RENSEIGNEMENTS INDIQUEES SUR LA DEUXIEME FEUILLE)	
Catégorie <sup>16</sup>	Identification des documents cités, <sup>16</sup> avec indication, si nécessaire des passages pertinents <sup>17</sup>	No. des revendications visées <sup>18</sup>		
A	Biochemical and Biophysical Research Communications, vol. 174, no. 3, 14 février 1991, (Duluth, Minnesota, US), N.N.L. SHEN et al.: "Introduction of single-stranded ADH genes into Drosophila results in tissue-specific expression", pages 1300-1305, voir le document en entier ---	1,3,4,8 ,13,15		
A	Chemical Abstracts, vol. 101, no. 17, 22 octobre 1984, (Columbus, Ohio, US), Y. OKADA: "Viroid, a replicating single-stranded circular RNA", page 149, colonne 1, abrégé no. 144891t, & GENDAI KAGAKU 1984, 160, 12-17, voir abrégé ---	1,3,4,8 ,13,15		
A	Nucleic Acids Research, vol. 17, no. 20, 25 octobre 1989, (Arlington, Virginia, US), D. MATTANOVICH et al.: "Stopping the DNA polymerase activity at a specific site with a dideoxyligonucleotide: selective labelling of single stranded circular DNA", page 8483, voir le document en entier ---	1,3,4,8 ,9,13, 15,22, 26,29		
A	DE,A,3928900 (EUROPÄISCHES LABORATORIUM FÜR MOLEKULARBIOLOGIE) 7 mars 1991, voir le document en entier ---	9,22		
A	EP,A,0321201 (COMMONWEALTH SCIENTIFIC AND INDUSTRIAL RESEARCH ORGANISATION) 21 juin 1989, voir le document en entier -----	16,22		



## SUITE DES RESEIGNEMENTS INDICUÉS SUR LA DEUXIEME FEUILLE

V. ☒ OBSERVATIONS LORSQU'IL A ÉTÉ ESTIMÉ QUE CERTAINES REVENDICATIONS NE POUVAIENT PAS FAIRE L'OBJET D'UNE RECHERCHE

Selon l'article 17.2(a) certaines revendications n'ont pas fait l'objet d'une recherche pour les motifs suivants:

1. ☒ Les revendications numéros se rapportent à un objet à l'égard duquel la présente administration n'a pas l'obligation de procéder à la recherche, à savoir:  
 Bien que les revendications 22-27 concernent une méthode de traitement du , et une méthode diagnostic applique au, corps humain/animal, la recherche a été effectuée et basée sur les effets imputés au produit.
2. ☐ Les revendications numéros se rapportent à des parties de la demande internationale qui ne remplissent pas les conditions prescrites dans une mesure telle qu'une recherche significative ne peut être effectuée, précisément:
3. ☐ Les revendications numéros sont des revendications dépendantes et ne sont pas rédigées conformément à la deuxième et la troisième phrases de la règle 6.4.a) du PCT.

VI. ☐ OBSERVATIONS LORSQU'IL Y A ABSENCE D'UNITÉ DE L'INVENTION <sup>2</sup>

L'administration chargée de la recherche internationale a trouvé plusieurs inventions dans la présente demande internationale, c'est-à-dire:

1. ☐ Comme toutes les taxes additionnelles demandées ont été payées dans les délais, le présent rapport de recherche internationale couvre toutes les revendications de la demande internationale pouvant faire l'objet d'une recherche.
2. ☐ Comme seulement une partie des taxes additionnelles demandées a été payée dans les délais, le présent rapport de recherche internationale couvre seulement celles des revendications de la demande pour lesquelles les taxes ont été payées, c'est-à-dire les revendications:
3. ☐ Aucune taxe additionnelle demandée n'a été payée dans les délais par le déposant. En conséquence, le présent rapport de recherche internationale est limité à l'invention mentionnée en premier dans les revendications; elle est couverte par les revendications numéros:
4. ☐ Étant donné que toutes les revendications susceptibles de faire l'objet d'une recherche le pouvaient sans effort particulier justifiant une taxe additionnelle, l'administration chargée de la recherche internationale n'a sollicité le paiement d'aucune taxe additionnelle.

Remarque quant à la réserve

- ☐ Les taxes additionnelles de recherche étaient accompagnées d'une réserve du déposant
- ☐ Aucune réserve n'a été faite lors du paiement des taxes additionnelles de recherche.

**ANNEXE AU RAPPORT DE RECHERCHE INTERNATIONALE  
RELATIF A LA DEMANDE INTERNATIONALE NO.**

FR 9200370  
SA 59472

La présente annexe indique les membres de la famille de brevets relatifs aux documents brevets cités dans le rapport de recherche internationale visé ci-dessus.  
Lesdits membres sont contenus au fichier informatique de l'Office européen des brevets à la date du 15/07/92  
Les renseignements fournis sont donnés à titre indicatif et n'engagent pas la responsabilité de l'Office européen des brevets.

Document brevet cité au rapport de recherche	Date de publication	Membre(s) de la famille de brevet(s)	Date de publication
DE-A- 3928900	07-03-91	Aucun	
EP-A- 0321201	21-06-89	AU-A- 2800789 WO-A- 8905852	19-07-89 29-06-89

EPO FORM P0412

Pour tout renseignement concernant cette annexe : voir Journal Officiel de l'Office européen des brevets, No.12/82